



$$\nabla p = -\frac{\mu}{k_p} \mathbf{v} + \mu \nabla^2 \mathbf{v}$$

$$\eta \frac{dr_i}{dt} = -\frac{\partial U}{\partial r_i}$$

inFront

Institute for Frontier Life and Medical Sciences, Kyoto University
京都大学ウイルス・再生医科学研究所 要覧



「医学・生物学のフロンティアを開拓する」

所長挨拶

ウイルス研究所と再生医科学研究所が統合新研究所となり、平成 28 年 10 月に「ウイルス・再生医科学研究所」が発足しました。

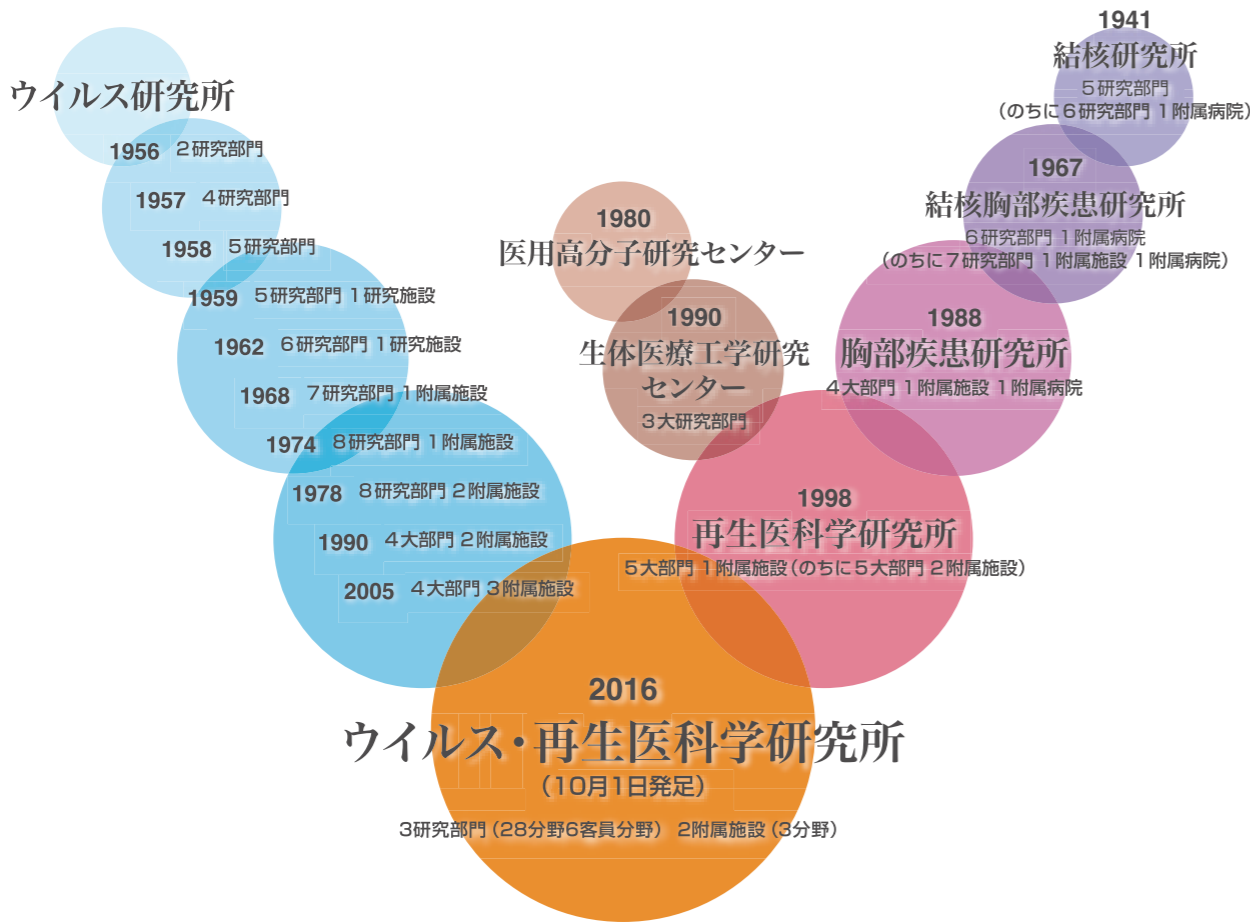
1956 年に設立されたウイルス研究所は、成人 T 細胞性白血病 (ATL) の原因ウイルス (ATLV/HTLV) の発見に代表されるウイルス感染症研究のみならず、我国の分子生物学の黎明を牽引してきました。一方、1998 年に発足した再生医科学研究所はヒト胚性幹細胞 (ES 細胞) の樹立や人工多能性幹細胞 (iPS 細胞) の発見、制御性 T 細胞の発見と再生医学に革新的な基盤を確立してきました。

近年、両研究所はそれぞれに「ウイルス感染症・生命科学先端融合的共同研究拠点」と「再生医学・再生医療の先端融合的共同研究拠点」を運営して参りました。この二つの拠点機能については、それぞれに維持発展させてゆくという我々の強い意思を込めて、新研究所名を旧名並記と致しました。

高齢化社会に突入した我国にとって、ウイルス感染症対策と再生医学の確立は極めて今日的な先端課題です。一見かけ離れたこの二つの課題は「多様に階層化された細胞社会」という隠れた次元で繋がっています。統合新研究所は、この隠れた次元を開拓することで新たな研究者コミュニティを育て、医療技術に新たな基盤を据えるものと期待されています。こうして創出される未来領域の種を、旧名をつなぐ「・」に込めました。

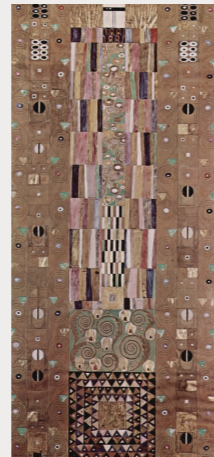
京都大学ウイルス・再生医科学研究所
所長 開 祐司



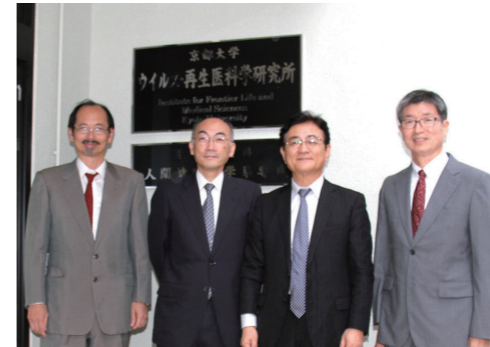


表紙について

この表紙は、オーストリア帝国末期に活躍したグスタフ・クリムト(Gustav Klimt, 1862年-1918年)の壁画装飾画「ストックレー・フリーズ」の中の一枚をモチーフにしたオリジナル画です。クリムトの作品には、きらびやかな色彩の中に常に死の香りがあり、「生と死の連鎖」「生命の永続性」が感じ取れるといわれます。ここでは、生命の基本単位としての核酸分子、ウイルス、細胞、臓器、そして、個体という具象物が、全体としていかなる動的運命をたどるかということに関して、科学の共通言語である「数式」をクリムトのモチーフに重ね合わせてみました。われわれ生命体を「多次元に階層化された細胞社会」として捉え、その生存戦略の全体骨格を明らかにするという新研究所の進むべき姿を表現しました。



Entwurf für den Wandfries im Palais Societ in Brussel, Goldener Ritter - 1909



ウイルス・再生医科学研究所開設記念除幕式(平成28年10月3日)
左から河本 宏 副所長、開 祐司 所長、湊 長博 理事・副学長、小柳 義夫 副所長



ウイルス・再生医科学研究所開設記念式典(平成28年12月21日)
左から山極 壽一 総長、開 祐司 所長、牛尾 則文 課長(文部科学省 研究振興局学術機関課)、松浦 善治 会長(国立大学附置研究所・センター長会議会長・大阪大学微生物病研究所長)



分子遺伝学分野

ウイルス感染症は現代でも重要な疾患であり、新型インフルエンザやC型肝炎などが社会問題となっている。ヒトを含む高等動物はインターフェロン系による抗ウイルス自然免疫による防御システムを有している。ウイルスが感染して複製すると正常には存在しない二重鎖RNAを作り出し、それをRIG-IおよびMDA5というセンサー分子が感知して防御反応が開始される(図)。一方、我々はマウスモデルを用いて、恒常的なインターフェロン系の活性化は自己免

疫疾患を引き起こすことを発見した。当研究室ではウイルス感染の予防や治療、あるいは自己免疫疾患の診断や治療を目的として研究を行っている。研究は原子レベルから動物個体まで幅広く行っている。大学院生命科学研究科の協力講座として大学院生を受け入れている。岡部特定准教授のグループは、マクロファージの組織固有性により制御される恒常性維持機構の研究を行っている。

教授 藤田 尚志
E-Mail: tfujita@virus.kyoto-u.ac.jp



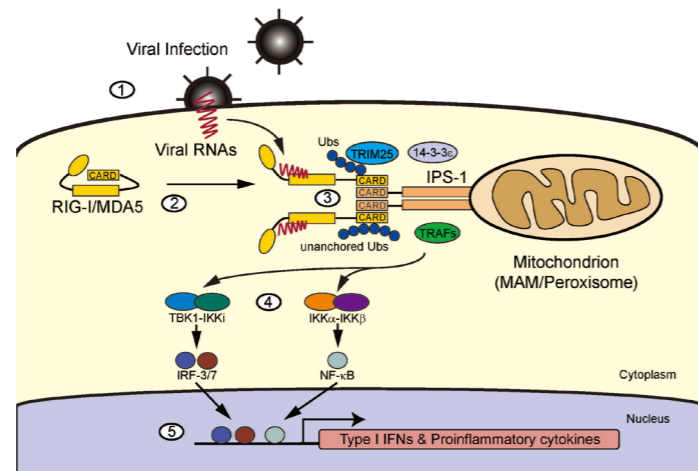
准教授 加藤 博己
E-Mail: hkato@virus.kyoto-u.ac.jp

特定准教授 岡部 泰賢
E-Mail: okabe.yasutaka.6z@kyoto-u.ac.jp

特定助教 木樽 周
E-Mail: akogure@virus.kyoto-u.ac.jp



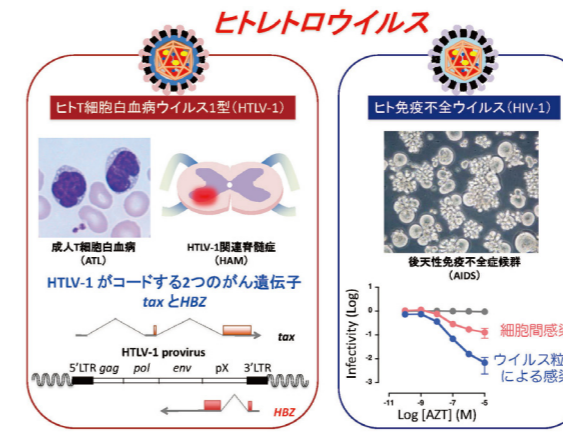
Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/bunshiiden2012/Japanese/index.html>



RIG-Iによるウイルス感染の感知とシグナル伝達
ウイルスが感染して細胞質で複製を開始する①と、ウイルス由来の二重鎖RNAをRIG-IあるいはMDA5が感知し②、CARDドメインを介して活性化シグナルをミトコンドリア上に発現するアダプター分子であるIPS-1 (Interferon Promoter Stimulator-1) に伝達する③。その結果、転写因子IRF-3, IRF-7, NF-κBが活性化され④、インターフェロン遺伝子をはじめとした抗ウイルス活性を有する遺伝子群の活性化が誘導される⑤。

ウイルス制御分野

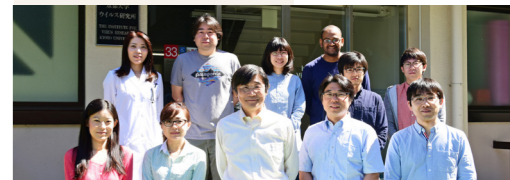
ヒトレトロウイルスであるヒトT細胞白血病ウイルス1型 (human T-cell leukemia virus type 1: HTLV-1) およびヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus: HIV) に関する基盤研究、治療法開発を行っている。HTLV-1に関しては、がんおよび炎症性疾患を惹起する分子機構の解明、新規治療法の開発を推進し、HIVに関しては、HIV感染動態の研究と抗HIV薬の開発を行っている。



HTLV-1はCD4⁺T細胞のがんATL、脊髄の慢性炎症HAMの原因ウイルスであり、その発症機序には2つのウイルス遺伝子taxとHBZが重要である。HIVはCD4⁺T細胞を破壊しAIDSを引き起こす。HIVの感染様式には細胞間感染系とウイルス粒子感染系があり、抗ウイルス剤に異なる感受性を示す。

講師 安永 純一郎
E-Mail: jyasunag@virus.kyoto-u.ac.jp

助教 志村 和也
E-Mail: kshimura@virus.kyoto-u.ac.jp

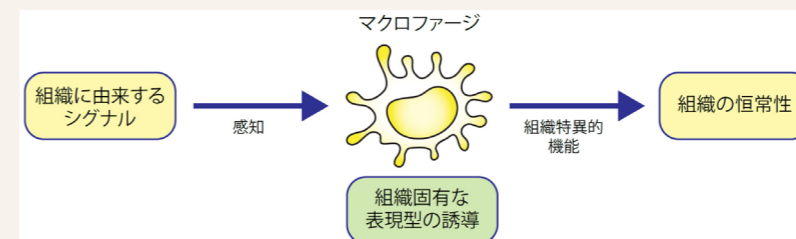


Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/VirusControl/index.html>

Topics

分子遺伝学分野

白血球の一種マクロファージについて研究しています。近年、マクロファージが免疫系や組織発生、障害修復、エネルギー代謝などの広範囲にわたる生命現象に関与し、生体の恒常性を担うことが明らかにされつつあります。私たちはマクロファージの組織特異的な機能や細胞分化の機構を解明することで、組織恒常性におけるマクロファージの役割やその破綻により生じる疾患の機序を明らかにすることを目指しています。



組織環境中に存在するシグナルはマクロファージに固有の性質を誘導する。これらマクロファージの組織特異的な表現型は各組織の恒常性を維持する役割を担う。



特定准教授 岡部 泰賢



教授 朝長 啓造
E-Mail: tomonaga @ virus.kyoto-u.ac.jp

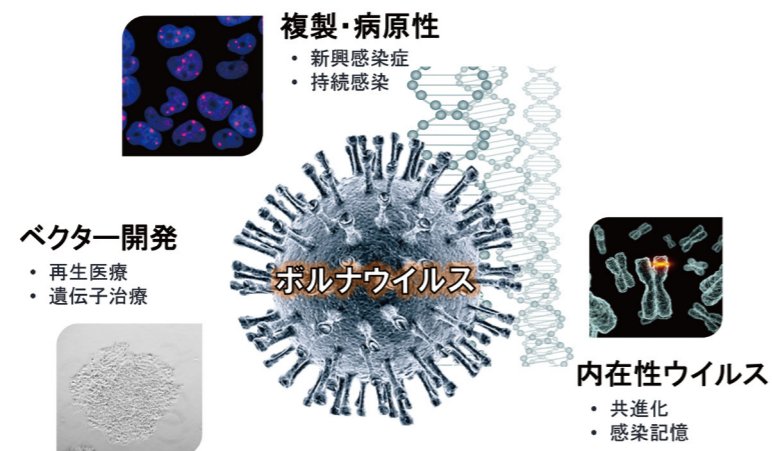
特定准教授 堀江 真行
E-Mail: horie.masayuki.3m @ kyoto-u.ac.jp

特定助教 牧野 晶子
E-Mail: amakino @ virus.kyoto-u.ac.jp

RNAウイルス分野

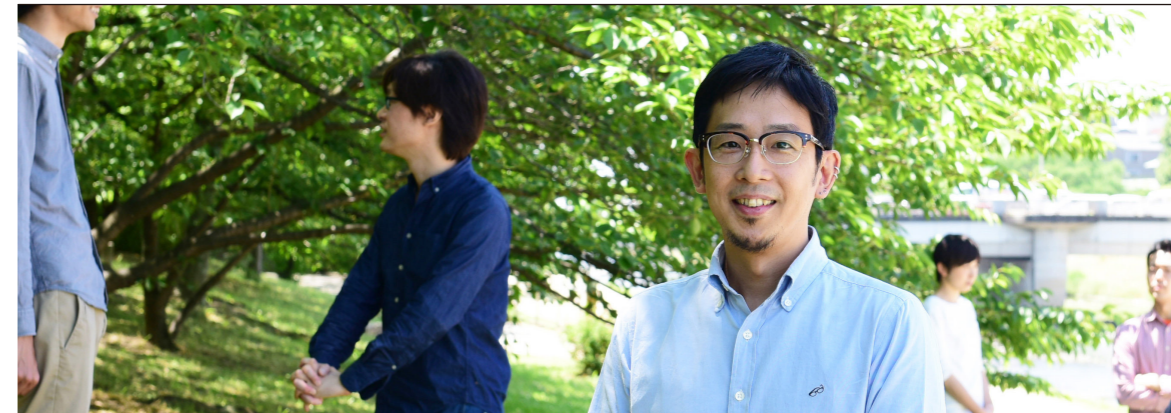
ウイルスは感染した生物の仕組みを巧みに利用することで増殖と伝播を繰り返しています。すなわち、ウイルスを知ることはその病原性や宿主応答を明らかにするのみならず、生命システムそのものを探究することにつながります。一方、地球上すべての生物に感染しているウイルスは、私たちの進化には欠かせないパートナーだったと考えられています。生命進化におけるウイルス感染の役割を研究することで、ウイルスが存在する本当の意味が明らかになると考えられます。私たちの研究目標は、「ウイルスを知り、生命を探る」ことにあります。

主な研究対象は、RNA を遺伝情報に持つウイルス、特にボルナウイルスです。ボルナウイルス研究では、神経病原性と細胞核での感染メカニズムを解析するとともに、ヒトをはじめとする多くの哺乳動物のゲノムで発見された内在性ボルナウイルス配列 (EBLs) の機能と進化的意義について研究を行っています。また、近年発見された新興ボルナウイルスの解析も進めています。さらに、ボルナウイルスの特性を活かした新規の RNA ウィルスベクターの研究開発も進めています。



RNAウイルス分野ではボルナウイルスを中心に複製と病原性の解析、内在性ボルナウイルスの研究そしてボルナウイルスを用いた新規RNAウイルスベクターの開発に取り組んでいる。

Lab URL <https://t.rnavirus.virus.kyoto-u.ac.jp/>



教授 野田 岳志
E-Mail: t-noda @ virus.kyoto-u.ac.jp

助教 中野 雅博
E-Mail: nakanom @ virus.kyoto-u.ac.jp

微細構造ウイルス学分野

私たちの研究室では、インフルエンザウイルスやエボラウイルスを中心に、ヒトや動物に病原性を示すマイナス鎖RNAウイルスに関する研究を行っています。具体的には、インフルエンザウイルスの分節化ゲノムがウイルス粒子内に取り込まれるメカニズム (ゲノムパッケージング機構) や、インフルエンザウイルスゲノムの転写・複製機構、インフルエンザウイルスmRNAの構造解析、エボラウイルスゲノムの転写・複製装置であるヌクレオカプシドの形成機構、インフルエンザウイルスやラッサウイルスの増殖を阻害する中和抗体の作出、ドラッグリポジショニングによる抗ウイルス

薬の再開発など、基礎研究から実用化を見据えた応用研究まで行っています。また、私たちの研究室は、さまざまな顕微鏡法を駆使した視覚的な解析を得意としています。通常のウイルス学的手法・分子細胞生物学的手法を用いた解析に加え、透過型電子顕微鏡、クライオ電子顕微鏡、高速原子間力顕微鏡を用いた顕微鏡解析を行うことで、マイナス鎖RNAウイルスの細胞内増殖機構を微細構造学的観点から理解することを目指します。世界で唯一の「微細構造ウイルス学」を研究室名に掲げ、個性的な研究を行いたいと考えています。

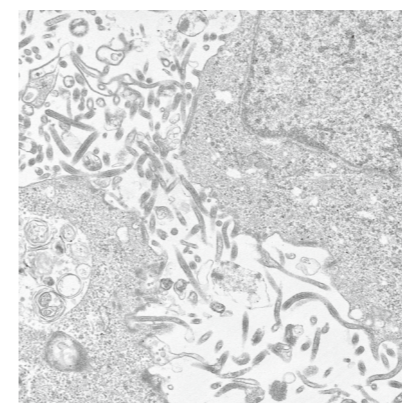


図1 感染細胞から出芽するエボラウイルスの透過型電子顕微鏡像。フィラメント状のエボラウイルス粒子が多数、細胞外に放出されている。

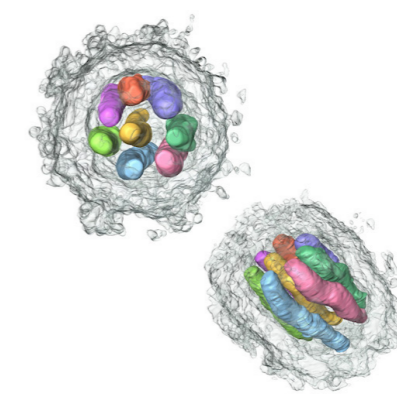
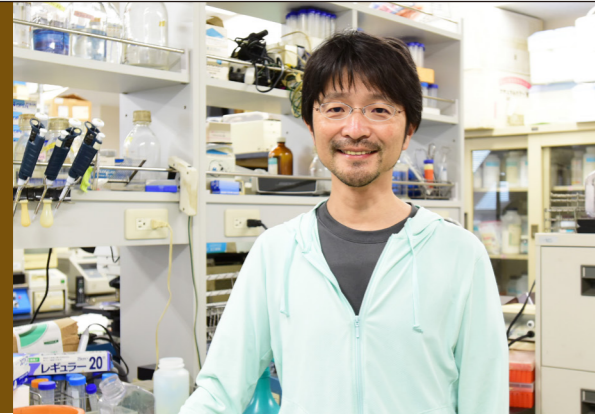


図2 電子線トモグラフィー法によるインフルエンザウイルス粒子の立体再構築モデル。ウイルス粒子内には、8本のRNPが"1+7"の規則的な配置をとって取り込まれる。

Lab URL <http://www.ims.u-tokyo.ac.jp/noda-lab/>

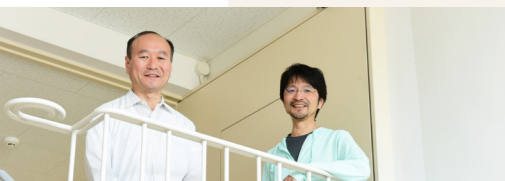




Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/sakai2012/Home2.html>

准教授 酒井 博幸
E-Mail: hsakai@virus.kyoto-u.ac.jp

助教 柳川 伸一
E-Mail: [syonagaw@virus.kyoto-u.ac.jp](mailto:syanagaw@virus.kyoto-u.ac.jp)



がんウイルス分野

パピローマウイルス感染と腫瘍形成：パピローマウイルスの感染は、イボなどの良性腫瘍を引き起こすだけでなく、子宮頸癌などの悪性腫瘍の原因にもなっています。私たちはこのウイルスの感染と、それによって引き起こされる腫瘍形成メカニズムを探っています。

Wntの細胞内シグナル伝達経路の解析：Wntによる細胞内シグナル伝達は、発生や形態形成で重要な役割を演じ、またWnt経路の恒常的活性化をもたらすようなWnt経路構成遺伝子の変異は、多くの癌を誘発します。私たちは、Wntシグナル伝達経路をin vitroおよびin vivoで解析しています。



ウサギパピローマウイルスの感染によって生じたイボ

ヒトに感染して慢性肝炎や肝がんを引き起こす肝炎ウイルスとその感染標的となるヒトの肝細胞を対象にして以下の研究をおこなっている。独自にヒト不死化肝細胞やヒト肝幹細胞を樹立し、これらを用いて肝炎ウイルス感染モデル系の開発をおこない、これらを利用して肝炎ウイルスの生活環ならびに肝炎ウイルス感染による肝がん発症機構の解析をおこなってきている。この研究からこれまでにC型肝炎ウイルス(HCV)とB型肝炎ウイルス(HBV)に対する数種の抗ウイルス薬剤候補を見出している。



Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/HCV/index.html>

准教授 土方 誠
E-Mail: mhjikat@virus.kyoto-u.ac.jp

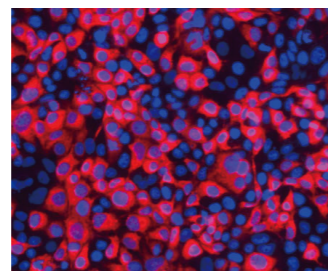
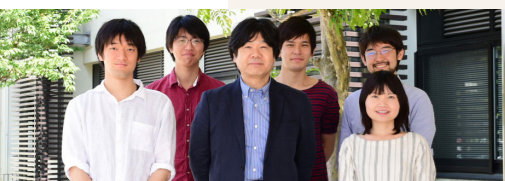


図1 HCVが感染した培養ヒト肝がん由来細胞。HCVタンパク質に対する抗体でHCV感染細胞を標識した(赤)。

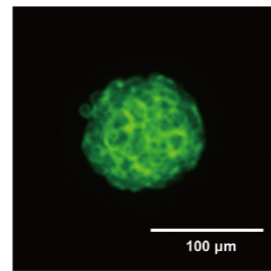
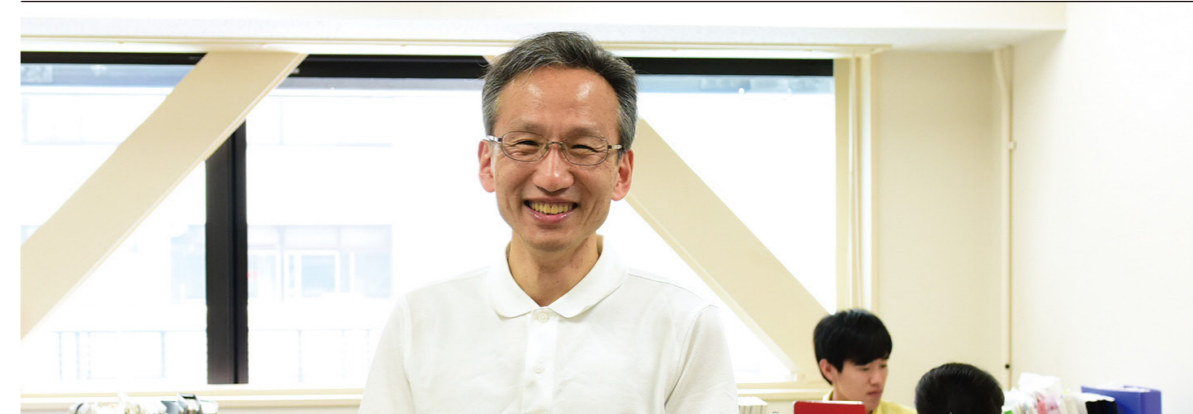


図2 HBV受容体を発現させたヒト不死化肝細胞をゲルを用いて立体培養した。HBV受容体は緑色蛍光タンパク質によって標識されている。

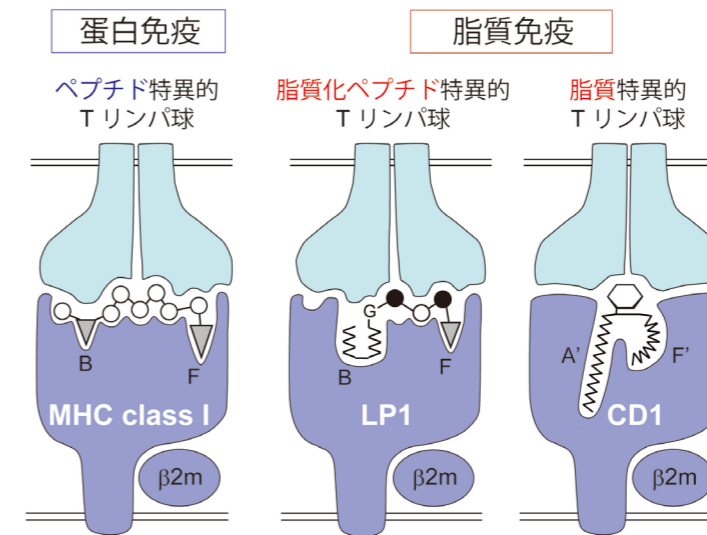


inFront

細胞制御分野

蛋白(ペプチド)を認識する従来のT細胞とは異なり、脂質や脂質化ペプチドを特異的に認識するT細胞の存在が知られています。私たちはこの新しい免疫を「脂質免疫」と名づけました。ヒト細胞やヒトCD1遺伝子を導入したトランスジェニックマウス、モルモットやサルを用い、免疫学、細胞生物学、構造生物学と脂質生化学を融合した独自の研究を進めることにより、まだ免疫学の教科書にもほとんど記載されていないこの新しい免疫システムの実態が明らかになってきました。「脂質免疫」の全容解明と新しい「脂質ワクチン」の開発を目指し、

とくに感染症(結核やエイズ)やがん、アレルギー・自己免疫病に興味を持って研究を進めています。最近脂質化ペプチドを提示する新しいサル抗原提示分子LP1を同定し、その結晶構造を解明しました。さらにサル研究で得られた知見をもとにヒトLP1分子の同定と解析を進め、ウイルス感染症やがん、自己免疫病に関連した新発見が得られつつあります。



MHC分子はペプチドを結合し、ペプチド特異的Tリンパ球に抗原提示します。これに対して、LP1分子は脂質化ペプチドを、またCD1分子は脂質を結合し、それぞれ脂質化ペプチド特異的リンパ球と脂質特異的リンパ球に抗原提示します。私たちはこれらを「脂質免疫」と名づけて、フロンティア研究を推進しています。

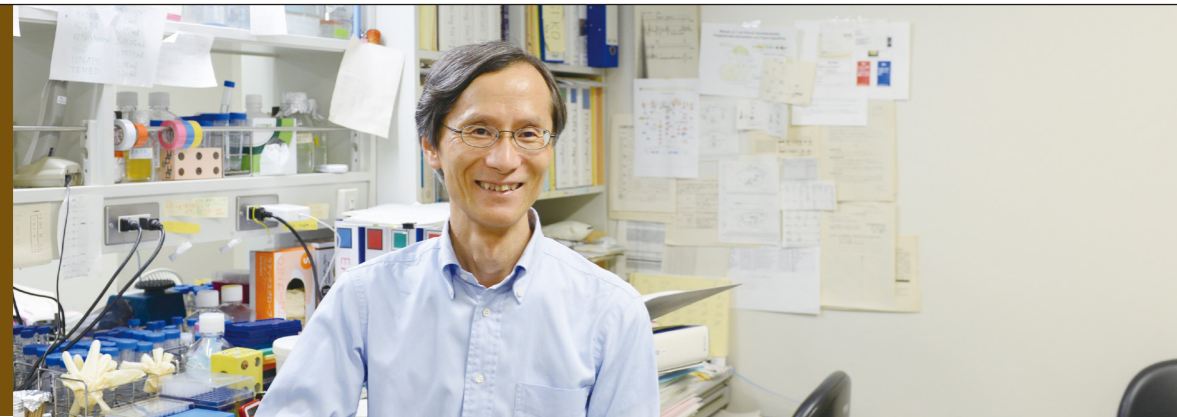
Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/SugitaLab.html>

教授 杉田 昌彦
E-Mail: msugita@virus.kyoto-u.ac.jp

助教 森田 大輔
E-Mail: dmorita@virus.kyoto-u.ac.jp

助教 水谷 龍明
E-Mail: mizutani@virus.kyoto-u.ac.jp





免疫制御分野

免疫系は、宿主と病原微生物の激しい戦いの最前線で進化した結果、我々の想像をはるかにこえた巧妙な制御機構をそなえている。本研究分野では、リンパ球の分化・維持・機能に重要な働きをしているサイトカインであるインターロイキン7 (IL-7) に焦点を当て、免疫系の構築と免疫応答の制御機構について研究している。具体的なテーマとして、(1) IL-7によるリンパ球抗原受容体遺伝子のDNA組換え制御機構、(2) 免疫系細胞におけるIL-7レセプターの分化・成熟シグナル、(3) 免疫系細胞の

分化と応答におけるIL-7レセプターの発現制御機構、(4) ステロイドホルモンによるリンパ球の体内動態と免疫機能の概日制御、(5) サイトカイン産生細胞の可視化と局所機能ならびに代謝リック症候群や肥満との関係、などの研究をおこなっている。基本的な考え方として、免疫系を材料として、広く生命科学全般に通用する基本的な原則を明らかにすることを目指している。本研究分野は大学院医学研究科に協力講座(免疫制御学)として所属しており、修士課程から研究に参加することができる。

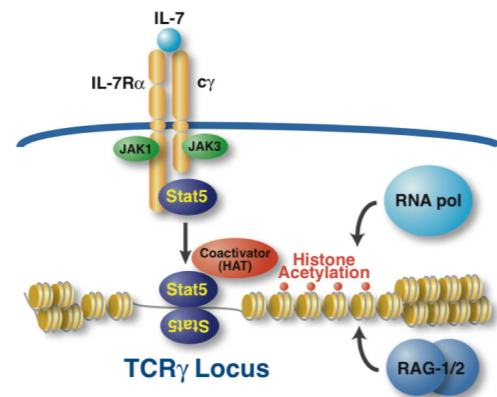


図1 IL-7によるリンパ球抗原受容体遺伝子のDNA組換え制御機構
IL-7により活性化された転写因子Stat5がT細胞受容体γ鎖遺伝子座に結合し、転写共役因子によりヒストンのアセチル化を誘導することで、DNA組換えを引き起こす。

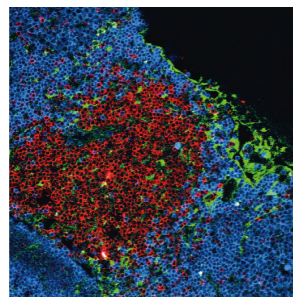
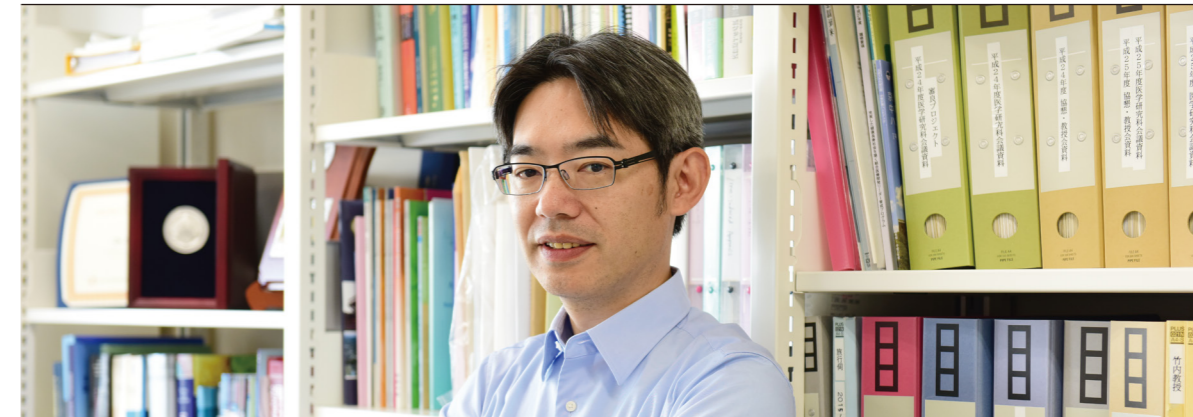


図2 バイエル板におけるIL-7産生細胞
IL-7-GFPノックインマウスのバイエル板の免疫組織染色。IL-7/GFP (緑)、T細胞 (赤)、B細胞 (青)。緑色のIL-7産生細胞が散在しているのが見られる。



感染防御分野

炎症はウイルスや細菌など病原体の感染を始めとした様々なストレスに対処する生体応答である。炎症は更に自己免疫疾患や癌、代謝リックシンドロームなど様々な疾患と深く関わっている。マクロファージや樹状細胞などにより担われる自然免疫は、感染をToll-like receptorを介して認識し、サイトカイン産生を介して炎症を引き起こすが、その活性化と抑制がバランス良く調節されている。本研究分野では、炎症が生体内において制御される分子メカニズムを、特に自然免疫の観点からモデル動物を用いて解析している。特に、私たちはRNA分

解酵素Regnase-1を同定し、この分子が炎症に関連する分子のmRNAを分解することで免疫システムの恒常性を維持していることを明らかにしてきた。さらに、Regnase-1に加え、Roquinという異なるRNA結合蛋白質にも焦点をあて、免疫におけるmRNA分解時空間制御の重要性を明らかにした。また、Akirinなど自然免疫を正に制御する機構についても研究を行っている。これらの研究を足掛かりに、免疫調節メカニズムを明らかにし、その制御法開発につなげていきたい。

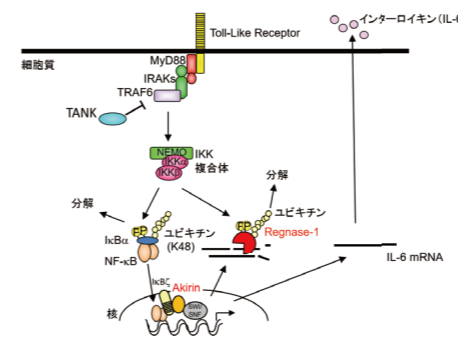


図1 自然免疫シグナル伝達とその制御
病原体に対するToll-like receptorからの細胞内シグナル伝達経路はRegnase-1やAkirin2を始めとした様々な分子で制御されており、インターロイキン6などサイトカイン産生、炎症が適切な強度に調節されている。

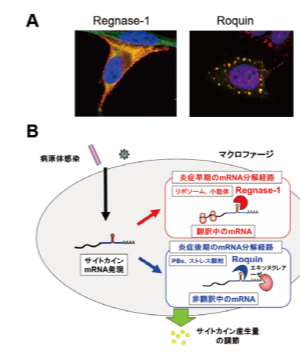


図2 Regnase-1とRoquinによるサイトカインmRNA分解の時空間制御モデル
(A)Regnase-1とRoquinは、小胞体とストレス顆粒にそれぞれ局在する。(B)Regnase-1とRoquinは同じmRNAステムループを認識するがそれぞれ翻訳依存性、非依存性にサイトカインmRNAを分解し炎症を調節する。

教授 竹内 理
E-Mail: otake @ virus.kyoto-u.ac.jp
助教 三野 享史
E-Mail: tmino @ virus.kyoto-u.ac.jp
特定助教 植畑 拓也
E-Mail: t.uehata @ virus.kyoto-u.ac.jp





応答調節分野 (客員)

教授 河岡 義裕
E-Mail: kawaoka@ims.u-tokyo.ac.jp

インフルエンザは古くから知られている疾病だが、医学の進歩した現在でも十分なコントロールが出来ず、毎年流行を繰り返している。また、2009年春には、21世紀初のパンデミック・インフルエンザが発生した。一方で、世界各地で蔓延している高病原性H5N1鳥インフルエンザも終息の兆しが見えず、警戒が必要である。私たちは、インフルエンザウイルスの病原性に影響する因子をウイルス側、宿主側の双方から分子レベルで解析している。また、

現行のインフルエンザ不活化ワクチンは、呼吸器粘膜免疫を誘導できず感染自体の防御ができないため有効性が低い。そのため、より有効な新規ワクチンの開発も行っている。ヒトに近いモデル系である霊長類を用いて解析するため、本研究所のP3A動物実験施設において、カニクイザルを用いたインフルエンザウイルスの感染実験を行い、霊長類における病原性、抗ウイルス薬の効果、ワクチン効果、宿主応答などを解析している。

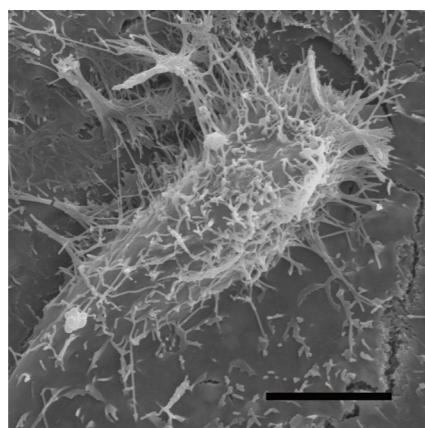


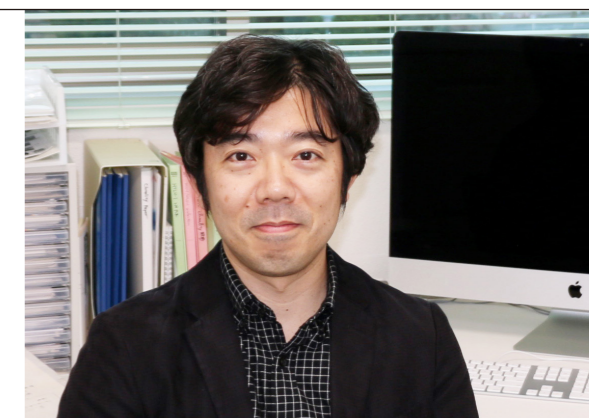
図1 Pandemic (H1N1) 2009 ウイルスに感染した細胞。細胞表面からウイルスが芽生している。



図2 京都大学ウイルス研究所のP3Aサル感染実験室における、カニクイザルを用いたインフルエンザウイルス感染実験

応答調節分野 (客員)

ヒトに感染し病気を起こす主なレトロウイルスにはヒト免疫不全ウイルス (HIV-1) とヒトT細胞白血病ウイルス (HTLV-1)が知られています。レトロウイルスはウイルスゲノムを宿主ゲノムにインテグレーションさせ、宿主細胞の遺伝子制御機構を利用する事で持続感染を成立させます。一方で、ウイルス感染は宿主細胞の恒常性維持機構に変容を来し、その結果ウイルス病原性を発現します。本研究室では、レトロウイルスの持続潜伏感染・病原性発現メカニズムの解明を目指して、ウイルス組み込み部位解析やエピジェネティックな制御機構、さらにはDNA高次構造や核内局在部位とウイルスとの物理的および機能的相互作用に関する研究を行っています。



准教授 佐藤 賢文
E-Mail: y-satou@kumamoto-u.ac.jp

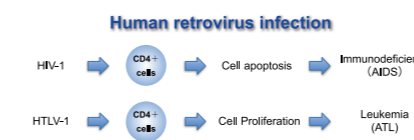


図1 HIV-1とHTLV-1のウイルス病原性
HIV-1は感染した細胞にアポトーシスを誘導しエイズを発症する。一方、HTLV-1は感染細胞を増殖させ、白血病発症の原因となる。

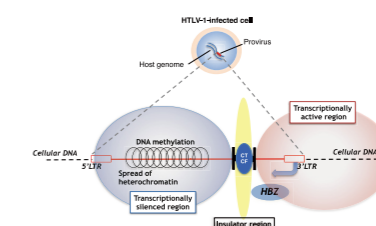
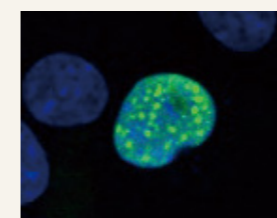


図2 HTLV-1プロウイルスのエピジェネティックな制御機構
細胞のエピジェネティック制御で重要な分子CTCFがプロウイルスに直接結合する。これは、ウイルスによる細胞内での生き残り戦略の1つと考えられる。

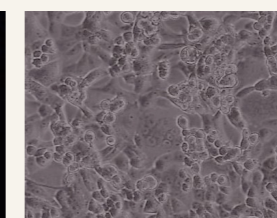
Topics

RNAウイルス感染分野

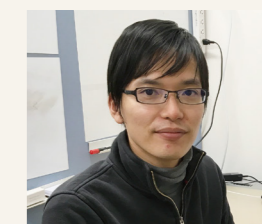
京都大学白眉プロジェクトに採用され、2017年1月に当分野に赴任しました。白眉プロジェクトの研究テーマは「RNAウイルスの考古学：生物学的実験と進化学的解析による探究」です。私はRNAウイルスの複製機構と進化、さらには宿主との共進化に興味があります。ウイルスは体化石を残さないため、どのようにして現在のRNAウイルスの多様性が形成されたかはわかっていません。しかし近年、様々な生物のゲノムに古代のRNAウイルス由来の遺伝子配列、つまりRNAウイルスの「分子化石」が存在することが明らかとなりました。このようなウイルスの化石を用いた進化学的解析と従来のウイルス学的実験を組み合わせることにより、時間軸を含めたRNAウイルスの進化の解明を目指しています。また、これらの生物ゲノムに存在するウイルス由来の遺伝子の一部は、生物の体内において重要な機能を持つことが知られています。これらの機能を持ちうる遺伝子配列の絞り込み、さらにはその機能解析も行っており、ウイルスと宿主の共進化の解明を目指しています。また私は獣医師でもあるため、上記のような基礎研究に加え、動物や家畜のウイルス感染症に関する研究やウイルスの多様性の解明も行っています。



ニパニニウイルス感染細胞



豚流行性下痢ウイルス感染細胞



特定准教授 堀江 真行



ウイルス免疫分野 (客員)

HTLV-1 (ヒトT細胞白血病ウイルス1型) は熱帯及び亜熱帯地域で広く感染が確認されているが、感染者の90%は感染に気付かず健康状態を保っている。しかし、感染者の5%はATL (成人T細胞白血病) として知られる白血病やリンパ腫を発症する。更に残りの5%の感染者はHAM/TSPとして知られる神経系慢性炎症性疾患を罹患し、脚部麻痺を引き起こす。HTLV-1は九州・沖縄地方では成人白血病の主原因である。

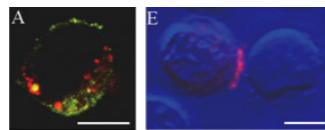
研究課題

- ・ HTLV-1感染者の大半は健康状態を保ち続けている一方で、なぜ少数の感染者は前記のような深刻な疾病を発症するのか
- ・ 強い免疫反応があるにも関わらず、どのようにしてHTLV-1は感染者の体内で終生存続し得るのか

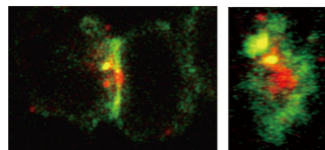
Imperial College の我々の研究室では分子生物学、細胞生物学、数理的手法に及ぶ幅広い技術を用いてHTLV-1感染の免疫学、ウイルス学的研究を行っている。我々はイギリス国内外、特に日本の研究者と長年に渡り有意義な共同研究を実施している。この共同研究の成果として、HTLV-1が宿主クロマチンの高次構造を変化させることを先般発表した(Satou et al 2016: Proc. Nat. Acad. Sci. USA 113, 3054)。予想外の研究結果から、HTLV-1感染による白血病発症について新たな仮説を立てることにつながった。更に、HTLV-1やその他の外来性レトロウイルスが挿入されるDNA配列モチーフは、実はパ lindロームではないことを明らかにした(Kirk et al 2016: Nature Microbiology, doi: 10.1038/NMICROBIOL.2016.212)。これは25年来の定説を覆す発見である。

ウイルスシナプスの発見：
HTLV-1は細胞から細胞ヘダイレクトに移動する

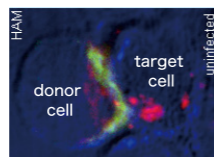
Gag蛋白質複合体 (赤色) が細胞間の接触部位に局在している



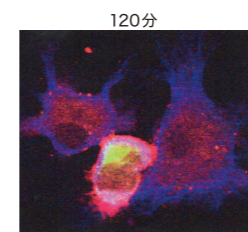
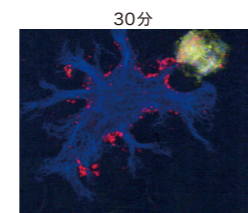
ウイルスシナプスは組織化された接着ドメイン (緑色) を有している



Gagは後にHTLV-1ゲノムと共に標的細胞に移動する



Igakura et al 2003: Science 299, 1713-6



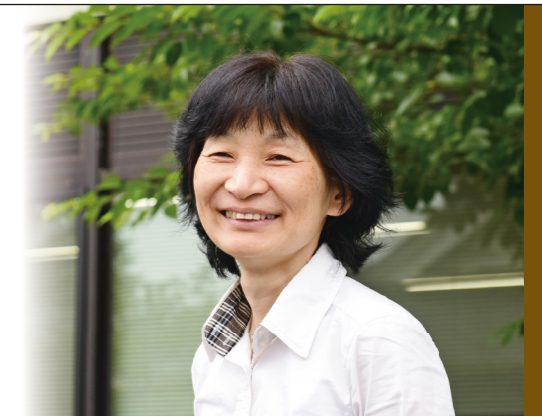
樹状細胞 (青色) もHTLV-1感染細胞 (緑色) との接触により効率的に感染する

細胞機能調節学分野

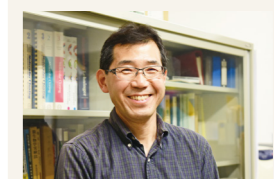
本分野では、3つの独立したグループが研究を行っている。細川Gでは、タンパク質品質管理機構と呼ばれる、細胞内で生合成されたタンパク質や様々なストレスが加わって変性したタンパク質が再び正しく機能するための仕組みと、これを担う分子シャペロンタンパク質やレクチンの機能解析、小胞体タンパク質分解機構、タンパク質の細胞内輸送メカニズムなどに関する研究を行っている。

平芳Gでは、RNAアプタマーを用いて基本転写機構、特に転写複合体形成から伸長反応への移行ステージについての解析を行っている。

藤本Gでは、正常なT細胞分化過程で低頻度ながらもおきているT細胞レセプターβ鎖遺伝子内の非正統的なV(D)J組換えと発がんとの関連性の解析を行っている。



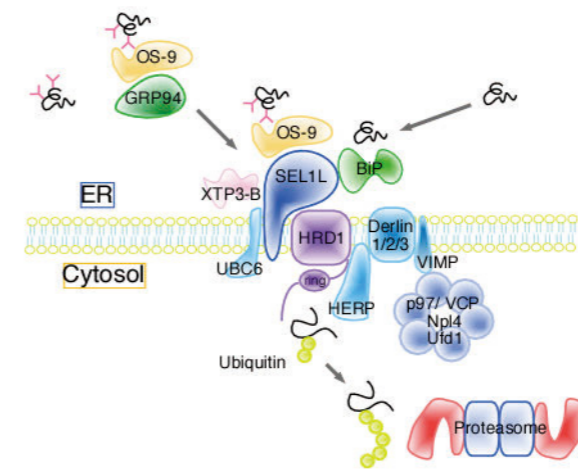
准教授 細川 暢子
E-Mail: nobukoh @ frontier.kyoto-u.ac.jp



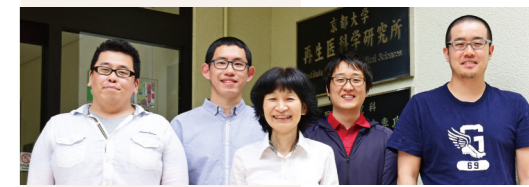
講師 平芳 一法
E-Mail: ippou @ frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 藤本 真慈
E-Mail: fujimoto @ frontier.kyoto-u.ac.jp

ユビキチンリガーゼ複合体



小胞体膜に存在するユビキチンリガーゼ複合体
小胞体内でミスフォールドしたタンパク質はしばしば細胞質側に引き出されてプロテアソームで分解される。小胞体膜上にはユビキチンリガーゼ複合体が存在する。小胞体内腔にはシャペロンタンパク質やレクチンが結合し、小胞体内でミスフォールドしたタンパク質の分解を制御している。





教授 田畑 泰彦

E-Mail: yasuhiko @ frontier.kyoto-u.ac.jp

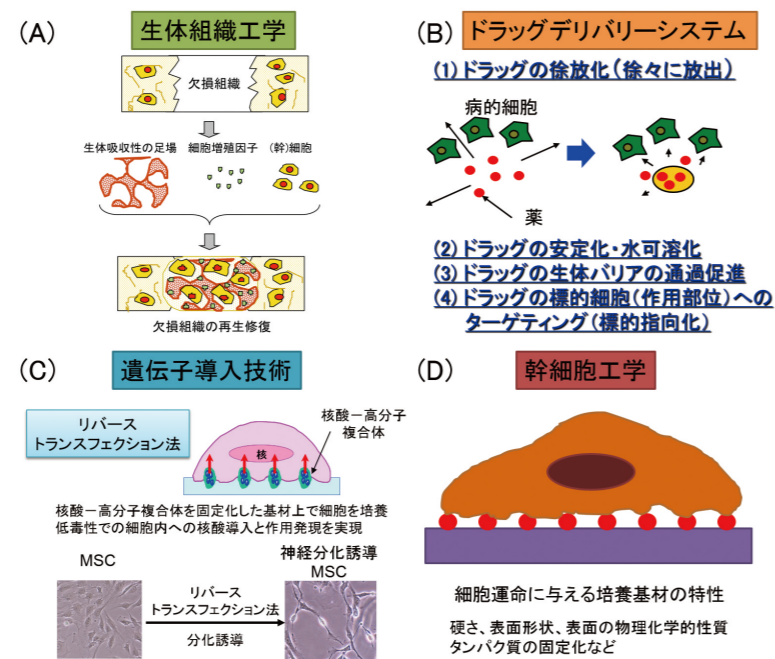
助教 城 潤一郎

E-Mail: jo @ frontier.kyoto-u.ac.jp

生体材料学分野

生物医学研究および医療（治療、予防、診断）に応用可能な方法、手段、および技術について材料科学の立場から研究開発していくことが当分野の主目的である。体内で使用される、あるいは生体成分と接触する材料（生体材料、バイオマテリアル）を生体内吸収性あるいは非吸収性材料から創製している。また、それらの生体

材料を活用した再生医療（生体組織工学（tissue engineering）、細胞移植治療、細胞研究、創薬研究）、ドラッグデリバリーシステム（DDS）、医用工学、あるいは幹細胞工学の基礎研究に加えて、それらの研究成果の応用展開と実用化を目指して研究している。



当研究室で開発している技術。(A)生体組織工学。体のもつ自然治癒力（細胞の増殖分化能力が基になっている）を介した再生医療を実現するための材料工学技術の研究開発。材料によって、細胞能力を高め、生体組織の再生修復を可能とする。(B)ドラッグデリバリーシステム。ある作用をもつ物質（ドラッグ）を材料と組み合わせることでドラッグの作用を最大限に高める。対象ドラッグには、治療薬、診断薬、予防薬、化粧品などがある。(C)遺伝子導入技術（リバーストランスフェクション法）。間葉系幹細胞（MSC）など、脆弱な幹細胞などに対しても、低毒性での遺伝子導入と従来法よりも長い遺伝子発現を実現。(D)幹細胞工学。材料の硬さ、軟らかさ、表面形状、表面物理化学的性質（親水-疎水性、電荷など）、タンパク質の固定化などによって、幹細胞の挙動が変化する。体内環境に近い細胞研究や創薬研究のための材料の開発。



教授 瀬原 淳子

E-Mail: asehara @ frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 飯田 敦夫

E-Mail: atsuo @ frontier.kyoto-u.ac.jp

特定助教 佐藤 文規

E-Mail: fumimx @ frontier.kyoto-u.ac.jp

再生増殖制御学分野

私達は、からだの中にある200種類余りの骨格筋を用いて、日々歩いたり食べたり目を開けたり、そして呼吸したりしています。骨格筋は動物が生きていく上で欠かせない臓器なのです。また骨格筋は再生する臓器です。骨格筋研究の面白さは、発生・発達の面白さに加えて、そのような再生機構の解明にも取り組めるところにあります。再生と発生の類似性や違いを、両者を比較検討することによって知ることができるはずで、その意味でも骨格筋は大変魅力的な研究材料です。我々の研究室では、骨格筋形成と再生、骨格筋萎縮機構などについて研究しています。

しかし、そこには多くの謎があります。(1)筋幹細胞はどのような仕組みで樹立されるのか、(2)静止期にある筋幹細胞が、

再生が必要になると活性化されるのはどのような仕組みによるのか、(3)運動すると骨格筋は太くなり、加齢に伴って衰えるのは何故か、(4)宇宙に滞在すると、無重力下でも骨格筋が萎縮する、その機構はどのようなものか、など疑問は尽きません。大学院生は、マウスやゼブラフィッシュを用いてこれらの疑問に挑戦します。骨格筋は神経支配を受け、血管から栄養を受け取り、また腱とつながって運動や姿勢の維持に関わることから、これらとの相互作用にも注目した研究を行っています。また、ADAMプロテアーゼというプロテアーゼによる細胞増殖因子の活性化や細胞間接着制御に関わる膜蛋白質にも着目した研究も

行っています。

Fig.1 Muscle stem cells regenerate injured muscle

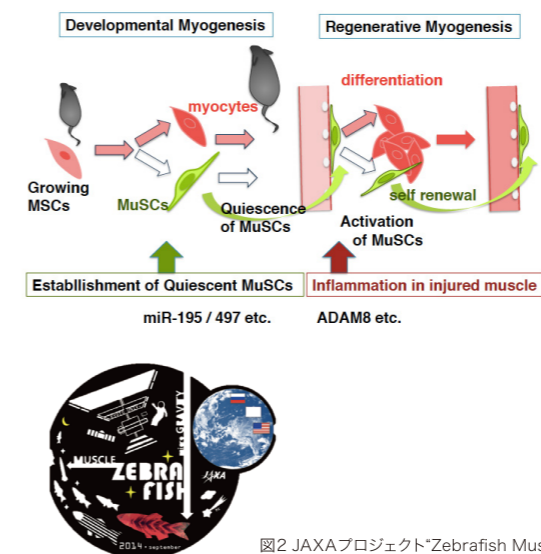


図1 私達が激しい運動をすると筋肉痛が起こるのは筋繊維（長い筋細胞のことが壊れて、そこで炎症反応が起こるからだ。しかしこの壊れた筋肉は2週間から1ヶ月程度経つともとの状態に回復する。これが骨格筋再生である。骨格筋の再生が効率的に起こるのは、私達が骨格筋専用の幹細胞を持っているからである。骨格筋幹細胞は、いつもは静止期にあって骨格筋の横でじっとしているが、激しい運動等により筋が損傷を受けると、活性化されて増殖し、骨格筋を作る。それとともに、一部は自己複製して、再び筋幹細胞となる。

図2 JAXAプロジェクト“Zebrafish Muscle”



教授 河本 宏
E-Mail: kawamoto @ frontier.kyoto-u.ac.jp



准教授 宮崎 正輝
E-Mail: mmiyazaki @ frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 増田 喬子
E-Mail: kyoko.masuda @ frontier.kyoto-u.ac.jp

臓器新生のための基盤技術開発拠点
特定助教 趙 向東
E-Mail: zhaoxd @ kuhp.kyoto-u.ac.jp

再生免疫学分野

造血においては多能造血幹細胞から順次分化能が限定されていき、いろいろの系列の単能前駆細胞が生成する。我々の研究室が目標としていることは、この分化能限定過程において、前駆細胞の運命を振り分ける分子機構を解析することである。我々は研究成果に基づいて新しい造血モデルとして「ミエロイド基本型モデル」を提唱してきた。一般に流布してきた古典的造血モデルとは異なり、このモデルでは、エリスロイド、T細胞、B細胞への分化に向かう経路において、ミエロイド細胞への分化能を保持するとしている。このモデルは、ミエロイド系細胞をつくる分化プログラムが全ての血液細胞の基本型であるというコン

セプトを提示している。我々の研究室はこのような造血過程の全体を研究対象としているが、中でもT細胞に至る過程に比重を置いて研究を進めている。一方、基礎研究から得られた情報や、開発した培養法を応用に活かす研究も進めている。最近主に力を入れているのは、初期化(iPS細胞化)の技術を用いて特定の抗原特異性のT細胞をクローニングし、再生させて細胞療法に用いるというアプローチである。T細胞のクローンを自在に操作できるようになれば、免疫の関わるいろいろな病気、例えば感染症、がん、自己免疫疾患などに、新境地を切り開くような応用法を提供できるのではないかと考えている。

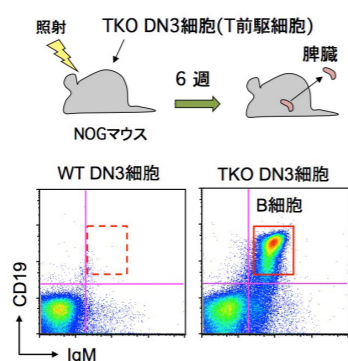


図1 ポリコム因子をT前駆細胞段階で欠失させるとT細胞系列からB細胞系列への系列転換が起こる。ポリコム複合体の活性をT細胞系列特異的に欠失させるためにLck-CreとRing1A/-Ring1Bfl/flを掛けあわせた。細胞死を軽減するためにCdkn2a-/-も掛け合わせた。このトリプルノックアウト (TKO) マウスの胸腺から、T細胞への系列決定が起こった直後のステージとみなすことができるDN3 (Double Negative 3) 細胞を分離し、照射した免疫不全マウス (NOGマウス) に移入すると、6週間後にB細胞への転換が見られた (Ikawa et al. Genes & Development, 2016)。

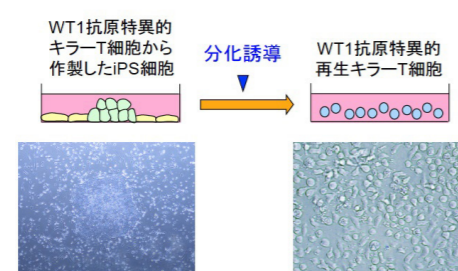


図2 iPS細胞技術を用いた抗原特異的T細胞の再生。ある抗原に特異的なT細胞からiPS細胞を作製する。このiPS細胞からT細胞を分化誘導して再生する。再生したキラーT細胞は元のT細胞と同じ抗原特異性を発揮する。この原理を用いて、さらに分化誘導法に改良を重ね、がん細胞を殺傷する能力のあるキラーT細胞を再生する事に成功した (Maeda et al. Cancer Research, 2016)。

Lab URL <http://kawamoto.frontier.kyoto-u.ac.jp>



教授 戸口田 淳也
E-Mail: togjun @ frontier.kyoto-u.ac.jp



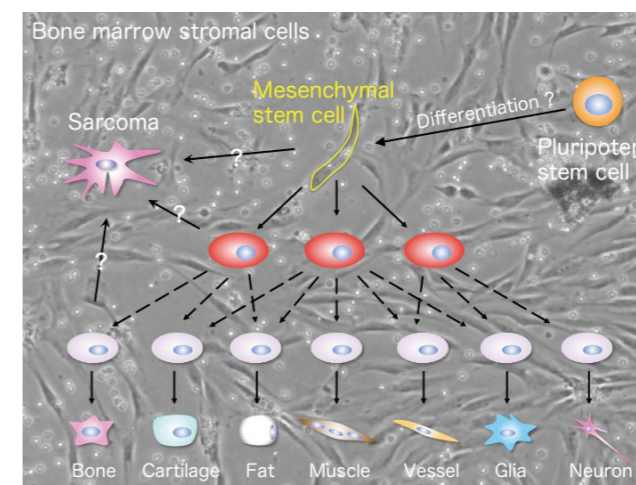
准教授 吉富 啓之
E-Mail: yositomi @ frontier.kyoto-u.ac.jp

組織再生応用分野

本研究分野の目標は間葉系組織について増殖分化機構を理解することで臨床病態を分子レベルで明らかにし、それに基づいて新規の治療法を開発することであり、以下のテーマについて現在研究を遂行している。

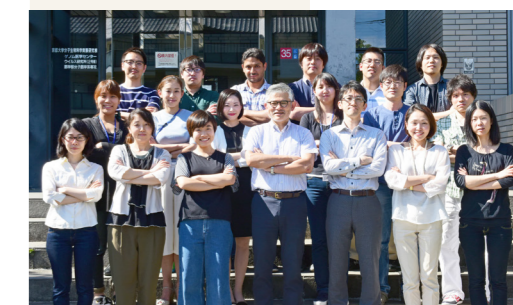
1. 間葉系組織の再生に関する研究
主として骨髄間質細胞中に存在する間葉系幹細胞 (Mesenchymal Stem Cell, MSC) についてその分化能及び

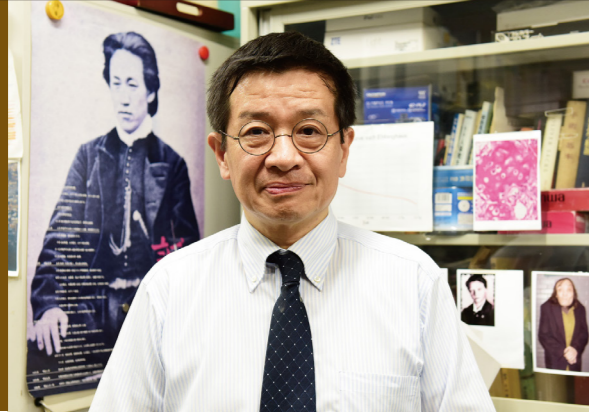
2. 増殖能を解析し、医療応用として骨壊死病態に対する細胞治療を臨床試験として施行した。
間葉系組織の癌化に関する研究
間葉系組織由来の悪性腫瘍である肉腫に関して、MSCや多能性幹細胞を用いた研究により、その発生に関するゲノム及びエピゲノム機構について研究を展開している。



当研究室では間葉系幹細胞の分化能および増殖能の解析による間葉系組織の再生を目指すとともに、間葉系組織由来の悪性腫瘍である肉腫の発生機構の解明を目指し研究を行っている。

Lab URL <http://www.infront.kyoto-u.ac.jp/research/lab15/>



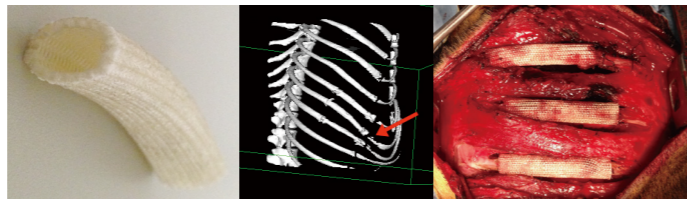


Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/ca04/>

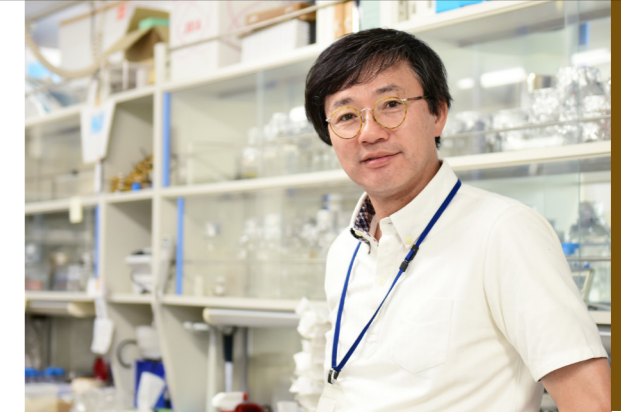
准教授 中村 達雄
E-Mail: nakamura@frontier.kyoto-u.ac.jp

臓器・器官形成応用分野

当分野の研究の根幹概念は、臓器を還元させる“場”（環境）を人工的に体の中に作れば、哺乳動物の臓器や組織も両生類のイモリのように再生還元させることが出来るというメカニズムを医学に応用するものです。このような生体内再生“in situ Tissue Engineering”は世界に先駆けて我々が提唱してきた方法であり、人工気管や人工神経などはすでに臨床応用されている。



胸部外科手術に用いる新しいデバイスの研究開発を行っている。従来、肋骨骨折の固定に対してはセラミックもしくはチタンプレートによる固定、もしくは肋骨ピンによる固定がしばしば利用されてきた。我々の研究室ではこの肋骨骨折に対する固定具として生体内九州材料を用いた新しいデバイスの開発を試みている。一般胸部外科領域では開胸という操作を伴う。この際、術野の確保のため、肋骨を人為的に切断することがあり、この切断肋骨の固定には肋骨ピンが使用される。しかし肋骨ピンでは術後の固定不良（1.3%～31%）がしばしば報告され、さらに確実な固定デバイスが望まれる。そこで肋骨ピンに代わりうる、より確実な固定具の一つとしてポリ-L-乳酸poly-L-lactide (PLA) 繊維による編み込み式の肋骨固定具（肋骨ソケット）を動物実験にて検証している。ビーグル犬（肋骨骨折モデル）に対して肋骨ソケット埋め込み手術を行い、良好な成績を得られている（固定率：93%）。今後さらなる長期フォローにより詳細な検証をおこない、臨床に用いたいと考えている。

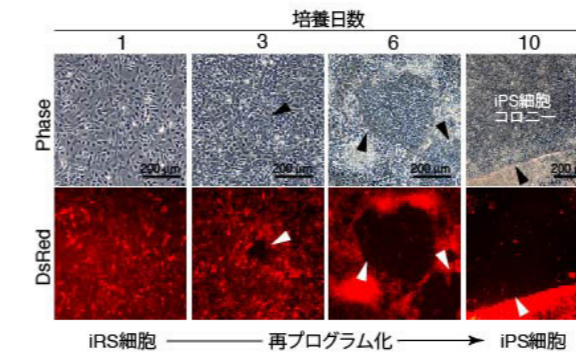


Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/es03/index.html/>

准教授 多田 高
E-Mail: ttada@frontier.kyoto-u.ac.jp

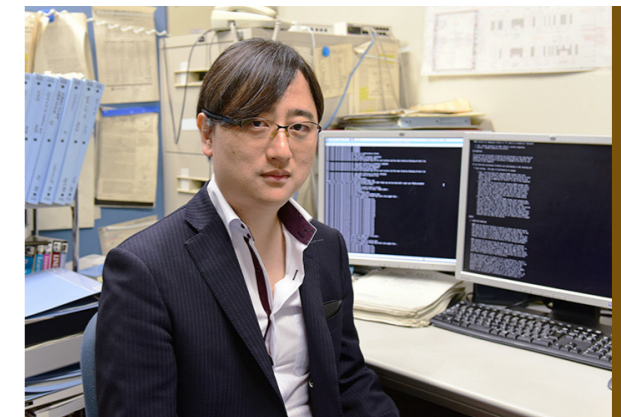
発生エピゲノム分野

再生医学と老化は密接に関連する。体細胞の源となる幹細胞は、老化細胞の新生細胞への置換や修復に機能する。再プログラム化による、体細胞からiPS細胞への形質転換は、再生医療への応用が期待されている。老化防止因子は、個体レベルの劣化予防に働き、幹細胞との関連が注目される。再プログラム化や老化防止は共に若返りを目指す仕組みであり、その分子機構はエピゲノムにより調節されている。

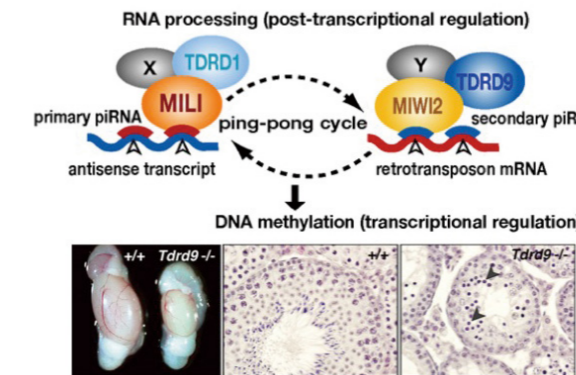


iRS (intermediately reprogrammed stem) 細胞からiPS細胞への再プログラム化

個体形成過程において、遺伝情報の安定性は発生段階や細胞系譜、生体環境などによって異なった制御を受ける。我々は、多能性幹細胞や生殖細胞に特徴的なゲノム・エピゲノム情報の維持および再編の分子メカニズムと発生プログラムによる高次制御の体系的な理解を目標とし、また細胞リソースの遺伝的安定性の制御基盤の解明を目指して研究を進めている。



准教授 中馬 新一郎
E-Mail: schuma@frontier.kyoto-u.ac.jp



Tdrd1、Tdrd9は、piRNA経路を介してレトロトランスポソンから生殖細胞のゲノム・エピゲノムを保護する役割を担う。



Lab URL http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/ca03/g_info.html

准教授 角 昭一郎
E-Mail: sumi@frontier.kyoto-u.ac.jp

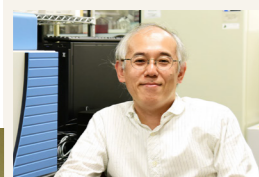




胚性幹細胞分野

胚性幹細胞分野ではヒトES細胞の医療応用を目指した基盤研究を行っている。これまでに樹立したヒトES細胞株は国内の研究期間に分配され多くの研究成果が上げられている。またES細胞の未分化性維持や細胞分化の分子機構の解析の他、安全性の高い培養法の開発などの将来の医療応用において不可欠の技術開発研究をおこなっている。ヒトES細胞の臨床利用のための細胞プロセシング施設を有し、ヒトES細胞株の樹立、培養、操作、品質保証、安全性確保等にわたる技術開発及び取扱基準規格の構築を行っている。将来的には、臨床応用に使用可能な品質レベルのヒトES細胞リソースの構築と臨床研究施設への提供を目的としている。

准教授 末盛 博文
E-Mail: hsuemori@frontier.kyoto-u.ac.jp



特定講師 川瀬 栄八郎
E-Mail: kawase8@frontier.kyoto-u.ac.jp

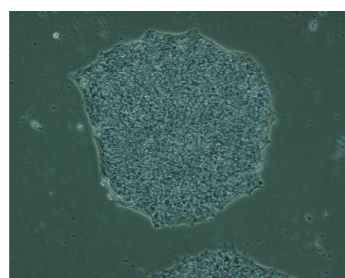


図1 ヒトES細胞

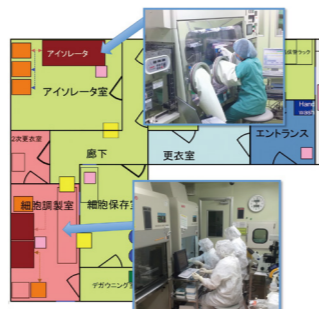


図2 臨床用ヒトES細胞樹立培養施設

Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/es01/top.htm>

Topics

再生免疫学分野

当研究室ではT細胞の初期分化を長年研究してきました。現在はその基礎研究をベースに、がん免疫療法として応用できる基盤となる研究も行っています。がんに対する免疫療法、特にがん抗原特異的T細胞療法が期待されていますが、活性の強い細胞を十分に増やすことは困難です。この問題を解決するために、iPS細胞を用いてがん抗原特異的T細胞を再生し治療に用いるという戦略の開発研究を行っています。



特定研究員 前田 卓也

胚性幹細胞分野 産学官連携推進室

一国際産学連携活動におけるミッション

グローバルに考え、グローバルに活動するー
平成26年度よりNEDOプロジェクトとして開始し、平成27年度よりAMEDプロジェクトとして実施中の「再生医療の産業化に向けた細胞製造・加工システムの開発：ヒト多能性幹細胞由来の再生医療製品製造システムの開発(心筋・神経)」(サブプロジェクトリーダー京大iCeMS設立拠点長 中辻憲夫特任教授、5年間)におけるプロジェクト・マネージャーとしてプロジェクトに関係するすべてのサポートを実施している。

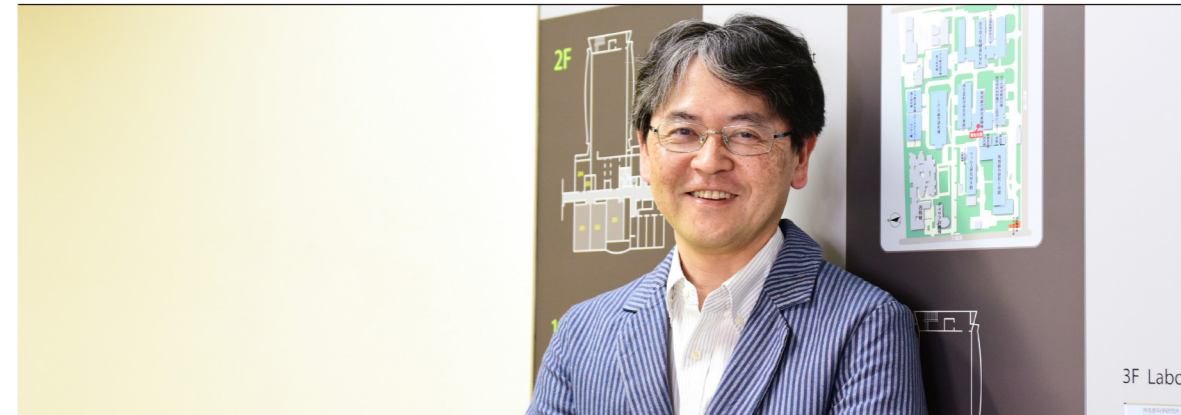
注：NEDO：独立行政法人新エネルギー・産業技術総合開発技術機構、AMED：日本医療研究開発機構



AMEDプロジェクトの目標及び参加大学・企業



特定教授 浅田 孝



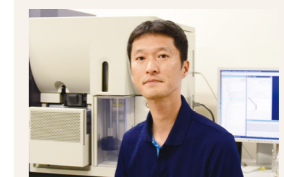
統合生体プロセス分野

当分野では、これまで、哺乳動物におけるグリコシルフォスファチジルイノシトール (GPI) アンカー型タンパク質 (GPI-AP) の精子の成熟過程における遊離メカニズムについて研究を進め、アンギオテンシン変換酵素 (ACE) にGPI-APを遊離する活性があり受精に重要な役割があることを見出した。また、精子の受精能獲得過程において、ラフトの局在変化、GPI-APの遊離、Izumo1タンパク質の局在変化が連動しており、これらが受精能獲得に必須であり、さらにこれを誘導する因子のひとつとして

Lipocaline2を見出した。今後も受精の分子機構、GPI-AP遊離の生理的意義の解明、ACEの新たな機能解析等を行う。また、もう一つの研究テーマは、近年新しいヘルパー細胞として同定された炎症性Th17細胞の機能と制御因子について解析を進めるとともに、様々な自己免疫疾患モデルを用いて炎症の新しい免疫学的機序について研究を進める。また、受精メカニズムと細胞免疫学を融合した学際的研究テーマについても研究を展開する。

教授 近藤 玄

E-Mail: kondohg@frontier.kyoto-u.ac.jp

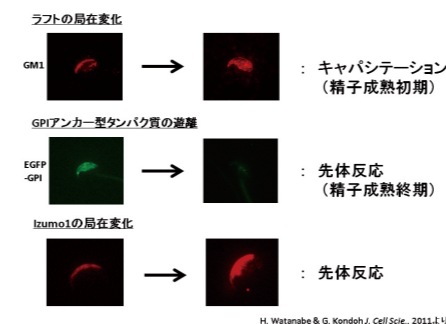


准教授 廣田 圭司

E-Mail: kaihen-anim@frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 渡邊 仁美 (兼務)

E-Mail: kaihen-anim@frontier.kyoto-u.ac.jp



H. Watanabe & G. Kondoh, J. Cell Sci., 2011, 124

図1 精子成熟ともなう精子膜反応。我々は、精子成熟と相関して、1. 初期過程であるキャパシテーションにもなるとラフトの局在変化がおこる、2. 終期過程である先体反応にもなるとGPIアンカー型タンパク質遊離およびIzumo1の局在変化がおこることを見出した。

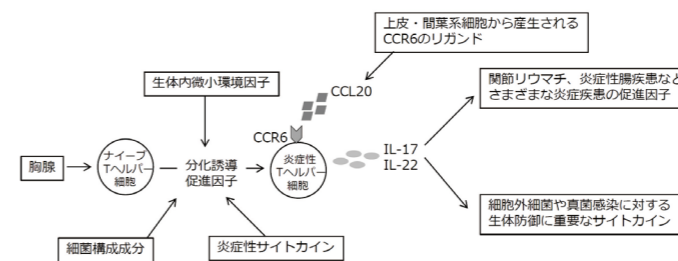


図2 炎症性Tヘルパー細胞の分化と機能制御機構。我々は、とくに、自己免疫疾患に対する免疫学的治療法開発に向けて、動物モデルを用いたインターロイキン17 (IL-17) 産生Tヘルパー (Th17) 細胞の機能と制御機構について研究を展開している。

Lab URL <http://an02-kaihen-anim.frontier.kyoto-u.ac.jp/contact.html>





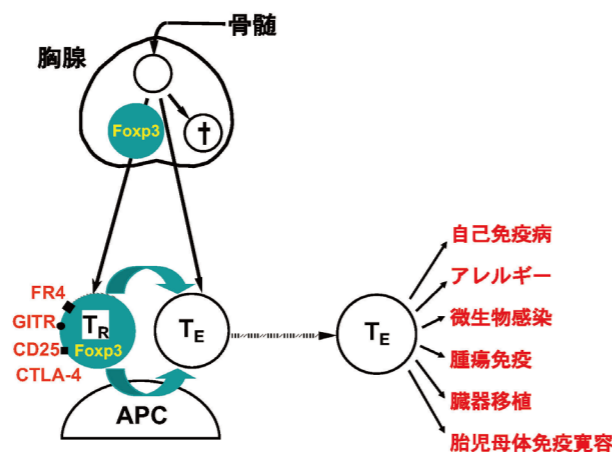
生体再建学分野 (客員)

教授 坂口 志文
E-Mail: shimon @ frontier.kyoto-u.ac.jp

当研究室は免疫自己寛容を主な研究対象としており、その重要な機序として、正常個体中に存在し自己と反応するリンパ球の活性化・増殖を抑制する内在性制御性 T 細胞を発見した。これまでに制御性 T 細胞の基礎的な発生分化、末梢組織における維持機構、抑制活性発動機構、その応用として腫瘍免疫や移植免疫、自己免疫疾患等との関係も実験的に示し報告してきた。制御性 T 細胞の研究は、ここ数年、自己免疫疾患、アレルギー、慢性感染症、臓器移植、癌免疫などの病的、生理的免疫応答の制御を目指して、世界中で活発

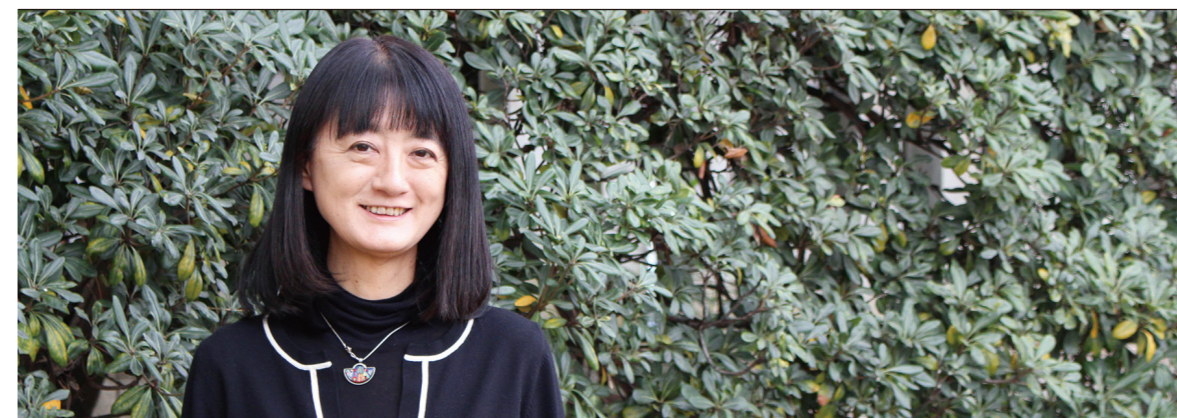
急速な進展をみせている。制御性 T 細胞の広汎な医療応用を目指して活発な研究を展開したいと考えている。また、自己免疫疾患の中でも特に関節リウマチの研究を進めており、関節リウマチに酷似した自己免疫性関節炎を自然発症する SKG マウスを樹立した。原因遺伝子である T 細胞シグナル分子 ZAP-70 の一塩基変異によって胸腺での T 細胞選択機構が変化し、関節炎惹起性 T 細胞が産生される。このようなシグナル伝達の遺伝子異常が、どのようにして特定の自己免疫病を発症させるに到るかを解明したいと考えている。

制御性T細胞による免疫制御



正常胸腺はCD25分子を発現する制御性T細胞を産生する。制御性T細胞は転写因子FoxP3を特異的に発現する。制御性T細胞の減少やその制御活性の低下は自己免疫病を惹起し、腫瘍免疫、微生物免疫を亢進させる。逆に制御性T細胞の増加、制御活性の強化により自己免疫疾患の治療、移植臓器に対する免疫寛容導入が可能である。

Lab URL <http://exp.immunol.ifrec.osaka-u.ac.jp/>

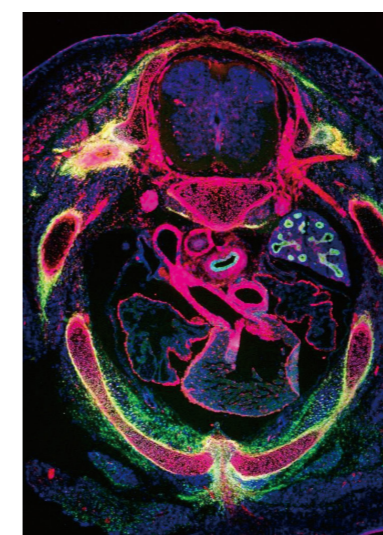


生体物性学分野 (客員)

教授 宿南 知佐
E-Mail: shukunam @ hirosima-u.ac.jp

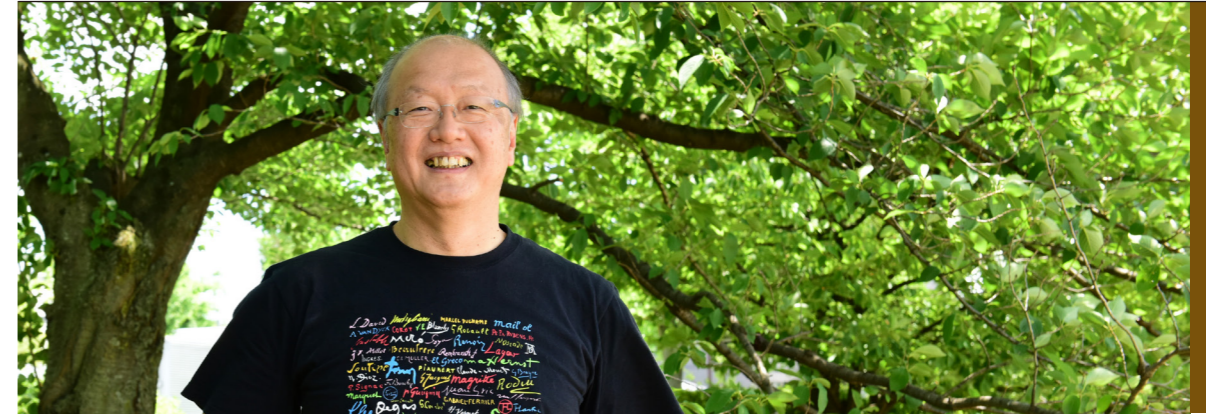
本研究分野では、運動器コンポーネントを連結する腱・靭帯と硬組織の形成・再生・疾患に焦点を当て、遺伝子改変マウスと細胞培養系を駆使した解析を行っている。組織形成のプロセスで独立した原基として形成される軟骨/骨、筋肉は、I型コラーゲンに富む強靭な密性結合組織である腱・靭帯によって連結されることによって一体化した運動器として機能することが出来るようになる。腱・靭帯原基では、basic helix-loop-helix型の転写因子である Scleraxis (Scx)が発現し、腱・靭帯の成熟に伴って、本研究分野で発見したII型の膜貫通型蛋白質であるTenomodulinが高いレベルで発現するようになる。一方、大部分の腱・靭帯と骨の連結部は、発生過程に

おいて、まず、腱・靭帯の硝子軟骨への附着部として形成され、生後、硝子軟骨が骨に置換され、線維軟骨が介在する腱・靭帯-線維軟骨-骨の接合部として完成する。この腱・靭帯接合部形成には、腱・靭帯の成熟に必要なScxと軟骨形成に必須の転写因子であるSRY-box containing gene 9 (Sox9)を発現するScx⁺/Sox9⁺細胞が寄与することを明らかにしている。現在、TALENやCRISPR/Cas9などのゲノム編集ツールを用いて、腱・靭帯関連遺伝子の欠失、鎖骨頭蓋異形成症や歯牙形成過程に異常を呈する遺伝性疾患のモデルマウスなどを作成し、組織、細胞レベルで機能解析を行っている。



Sox9^{Cre/+}; Rosa-CAG-LSL-tdTomato; ScxGFP マウスの14.5日胚の横断切片像。Scx⁺細胞がGFP (緑)を発現するトランスジェニックマウスにおいて、tdTomato (赤)を発現する Sox9⁺細胞の系譜解析を行った。GFPの発現はGFP抗体によって検出した。腱の附着部にはSox9⁺細胞由来のScx⁺細胞 (黄)が観察される。

Lab URL http://home.hirosima-u.ac.jp/tnmd/j_html/j_index.html



生体分子設計学分野

私達は、内軟骨性骨形成の分子機構を解明し、骨格系組織の再生、悪性腫瘍や血管病変の治療への応用に向けた分子基盤の確立を目指して研究を行っている。現在、以下のようなプロジェクトを進めている。
 1) 軟骨への血管侵入に始まる骨への置換(内軟骨性骨形成) 機序の解明；
 2) 軟骨特異的血管新生抑制因子 Chondromodulin (Chmd) 及び腱・靭帯特異的血管新生抑制因子 Tenomodulin (Tnmd) の作用機構とその血管新生病変に対する応用；
 3) tenomodulin (tnmd) 遺伝子の組織特異的転写制御の解析；
 4) 軟骨と腱／

靭帯の連結部構築における Scx/Sox9 二重陽性前駆細胞の役割の解析；
 5) 関節軟骨や腱・靭帯の再生修復誘導技術の開発などである。また、材料工学的なアプローチで以下の課題にも取り組んでいる。
 1) iPS 細胞から臍島様細胞を大量に得る培養法の構築；
 2) 移植細胞を生着させる技術；
 3) 細胞の表面修飾により機能改変する技術；
 4) 高感度表面分析手法による人工材料-生体間の相互作用解析などを通じて細胞や組織を人工材料によって制御するための基礎を築く。

教授 開 祐司

E-Mail: hiraki@frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 三浦 重徳

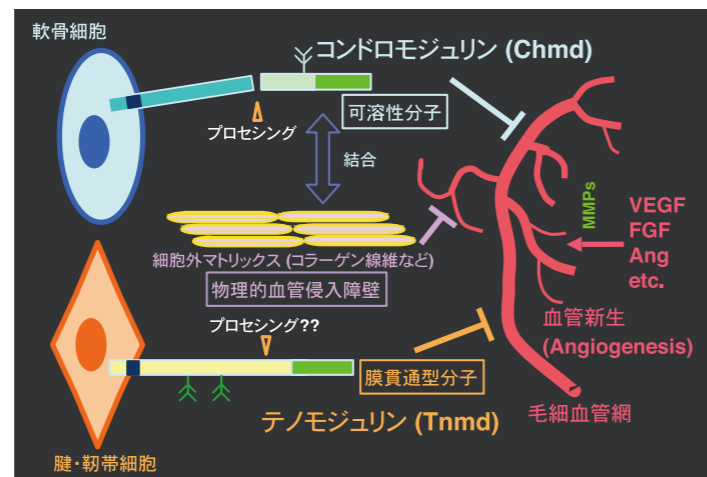
E-Mail: miura@frontier.kyoto-u.ac.jp

特定助教 滝本 晶

E-Mail: tak921@frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 有馬 祐介

E-Mail: arima@frontier.kyoto-u.ac.jp

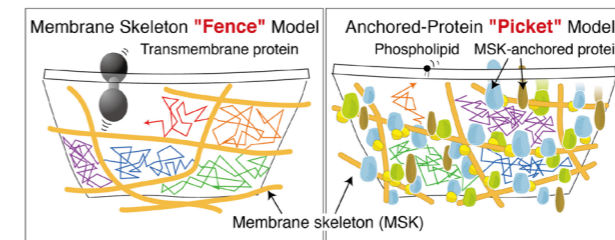
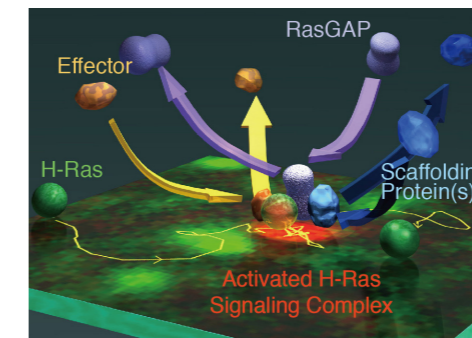


血管侵入障壁におけるChondromodulin (Chmd)とTenomodulin (Tnmd)の作用
 血管網が豊富な間葉系組織の中において、軟骨は特異的に無血管であり、また腱や靭帯も血管網に乏しいことが知られている。コンドロモジュリン(Chmd)は軟骨細胞が産生するII型膜貫通蛋白質が切断されて細胞外に分泌され、細胞外マトリックス(ECM)に蓄積する。一方、テノモジュリン(Tnmd)は腱や靭帯組織に特異的に発現する。いずれも、血管新生抑制因子として作用して血管侵入障壁を形成する機能分子として働いていると考えられる。

ナノバイオプロセス分野

私たちは、生きている細胞の中で、細胞膜上の受容体やシグナル分子を1個ずつ(1種の分子という意味ではなく、ホントに1個の分子!!)、直接に見たり、引っ張って動かしたりしています。それによって、(1)細胞のシグナル伝達系がシステムとしてどのような機構で働くのか、(2)神経回路網はどのようにして形成されるのか、の2つの「作動機構」の問題にアプローチしています。生物が進化によって獲得してきた、シグナル系や細胞の社会の動かせ方の「基

本的/一般的な戦略」を理解するのが目標です。このため、生きている細胞中で、ナノシステムを1分子毎に調べるためのテクノロジーの開発に力を入れています。このような方法そのもの、さらに、それによって得られた生体系の知識(これらを合わせて、ナノバイオロジーと呼んでいます)を、将来のナノテクノロジー、ナノ再生医学、ナノ医療につなげていくことも、重要な課題です。具体的な最近の研究成果については、下の図と説明をご覧ください。



(上の図) 細胞外からシグナルが来ると、多数の細胞内分子が、細胞膜上で急速に、協同的に、シグナル複合体を作ることがわかった(図では上が細胞質)。さらに興味深いことに、この複合体は、1秒以内に分解される(上の図)。つまり、細胞のシグナルはパルス的で、デジタル式のシグナリングをやっているようだ。このような発見は、普通の多数分子観察では不可能であり、1分子観察の独壇場である。(下の図) さらに、細胞膜の構造とその働き方に関して、パラダイムシフトを要求する発見ができた。細胞膜はコンパートメント化されており、そのために、例えば、シグナル複合体が形成されると、そこでシグナルの閉じ込めが起こることが分かってきた。

教授 楠見 明弘

E-Mail: akusumi@frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 笠井 倫志

E-Mail: rkasai@frontier.kyoto-u.ac.jp





バイオメカニクス分野

バイオメカニクス分野では、生物の発生過程における細胞分化、形態形成、成長、さらには生体組織・器官のリモデリングや再生による環境への機能的適応など、多様な生命現象における自律的な制御メカニズムの解明を目指し、力学、生命科学、医科学を含む学際的研究を行っている。特に、細胞・分子レベルにおける要素過程と、そ

れらの複雑な相互作用により組織・器官レベルにおいて創発される生命システム動態の本質を理解するため、「力学環境への適応性」と「構造・機能の階層性」に着目し、実験と数理モデリング・計算機シミュレーションを統合的に組み合わせたバイオメカニクス・メカノバイオロジー研究を進めている。

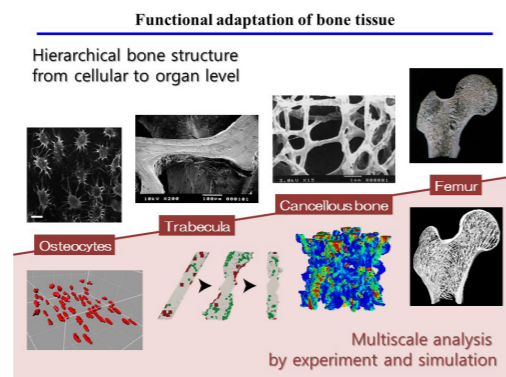


図1 骨組織の機能的適応のバイオメカニクス

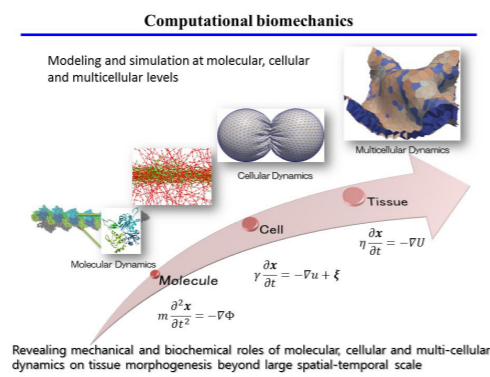
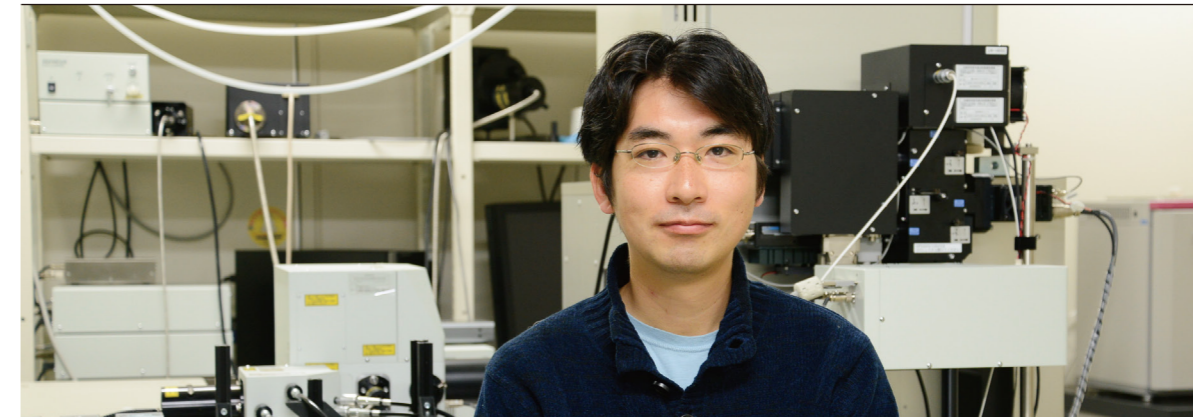


図2 形態形成ダイナミクスのマルチスケール数理バイオメカニクス

Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/bf05/>

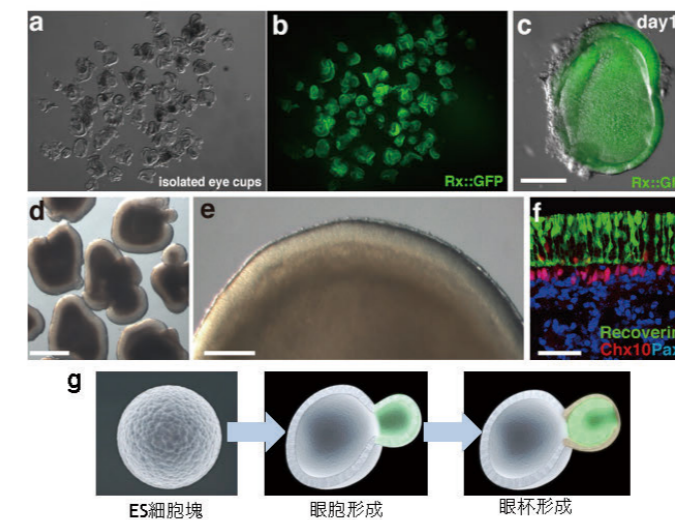


発生システム制御分野

脳や心臓などの器官形成過程は細胞の増殖、分化、移動などを伴う極めて複雑な現象です。にもかかわらず生物はその発生過程において複雑な形態と機能を持った臓器を再現性よく作り上げる事が出来ます。このような器官形成を実現するための原理を理解し、試験管内で機能的な器官形成を再現することは生物学の大きな目標のひとつです。この目的を達成するためには、進化を通じて獲得された器官形成のための最も効率的なプロセスである個体発生過程を試験管内で再現する戦略が効果的であると考えられます。私たちの研究室では多能

性幹細胞（ES細胞/iPS細胞）などの幹細胞を用いてin vitroでの器官形成再現のための技術開発を行なうとともに、その形成過程を解析することで多細胞が協調して機能的な器官を作り上げるメカニズムを明らかにすることを目的として以下の研究テーマに取り組んでいます。

- 1) in vitroでの機能的な器官形成のための幹細胞制御技術の開発
- 2) 器官形成を実現する多細胞動態原理の解明
- 3) 種特異的な発生時間・空間スケールを制御する分子メカニズムの解析



ES細胞からの網膜組織形成
a-c.ES細胞から誘導した眼杯組織。d-e.層構造を持った成熟した網膜組織への分化。g.in vitroでの眼杯形成過程の再現

Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/bs01/>

教授 永樂 元次
E-Mail: eiraku@frontier.kyoto-u.ac.jp





システムウイルス学分野

ウイルスは、細胞から細胞へとその遺伝子を移動させ、自己の遺伝子を複製させる。この複製現象において、どのような分子が、いつから、如何に関与しているのか知ることがわれわれの主要な研究課題としている。ウイルス遺伝子の複製増殖には細胞が必須である。また、さまざまな細胞性因子がウイルス複製の過程に密接に関与していることも明らかとなってきている。その細胞性因子のなかには生体の免疫反応に関与し、ウイルスの複製増殖に抑制的に働く分子、さらには、ウイルスがその抑制作用を乗り越えた事象があることもわかってきた。しかし、ひとつのウイルスが増殖を完了するのに何種類の細胞因子がどのような

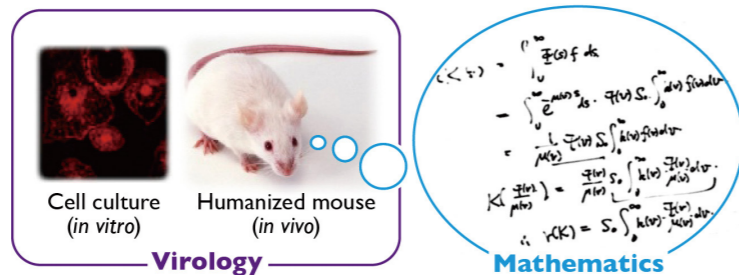
時間軸ならびに空間軸のもとに駆動しているか、不明である。これらの分子作用メカニズムの解析から、免疫学とウイルス学の両者からの生命現象の理解を深めることを目的としている。研究対象として、エイズウイルスであるHIVを中心に据えている。このウイルスはヒトを免疫不全に陥れる。そのメカニズムはいまだに不明である。このウイルス感染の免疫担当細胞に対する影響をヒト細胞培養系、あるいは、ヒト幹細胞を移植したヒト化マウスモデルを使って解析し、数理モデルやさまざまな生物情報も利用して、その病気が生じるメカニズムを明らかにすることに取組む。

教授 小柳 義夫
E-Mail: ykoyanag @ virus.kyoto-u.ac.jp



講師 佐藤 佳
E-Mail: ksato @ virus.kyoto-u.ac.jp

Virology & Mathematics interdisciplinary study



ウイルス学と数理学の融合研究
ヒト培養細胞と免疫不全マウスへのヒト血液幹細胞移植により作製されるヒト化マウスを使ったHIV-1感受性動物モデルを利用したウイルス学研究と数理モデル解析を利用した数学的研究の学際融合をめざす。

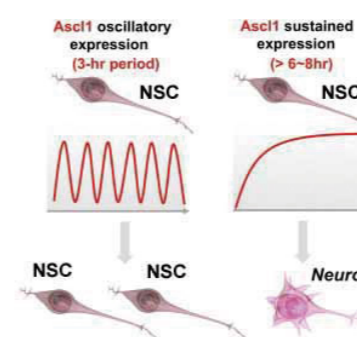
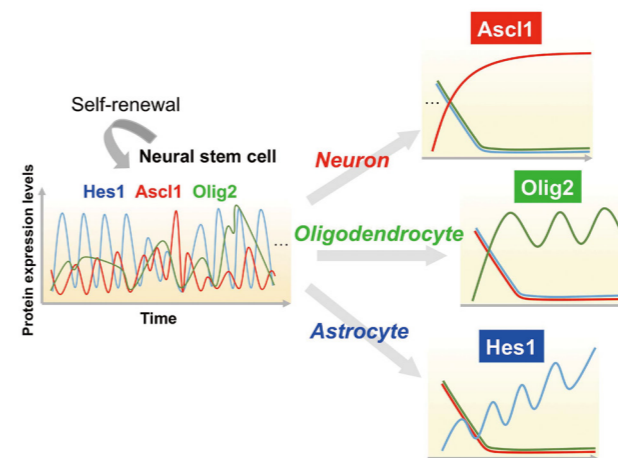
Lab URL <http://www.infront.kyoto-u.ac.jp/research/lab01/>



増殖制御システム分野

神経幹細胞は、ニューロン、オリゴデントロサイト、アストロサイトという3種類の細胞系譜を生み出す多分化能を持つ。それぞれの細胞系譜への分化決定因子が明らかにされてきたが、これらの因子は神経幹細胞の増殖・維持という逆の機能も持つ。イメージング技術によって3種類の分化決定因子の発現を可視化したところ、神経幹細胞ではこれら3種類の因子の発現が振動しているが、分化決定時にはどれか1つが

持続発現することがわかった(上図)。光遺伝学的手法によってニューロン分化決定因子の発現を振動させると神経幹細胞の増殖能が活性化され、持続発現させるとニューロン分化が起こった(下図)。したがって、光遺伝学的手法で神経幹細胞の増殖やニューロン分化を自由に制御することが可能になった。今後、これらの技術を神経再生に応用していきたいと考えている。



教授 影山 龍一郎
E-Mail: rkageyam @ virus.kyoto-u.ac.jp

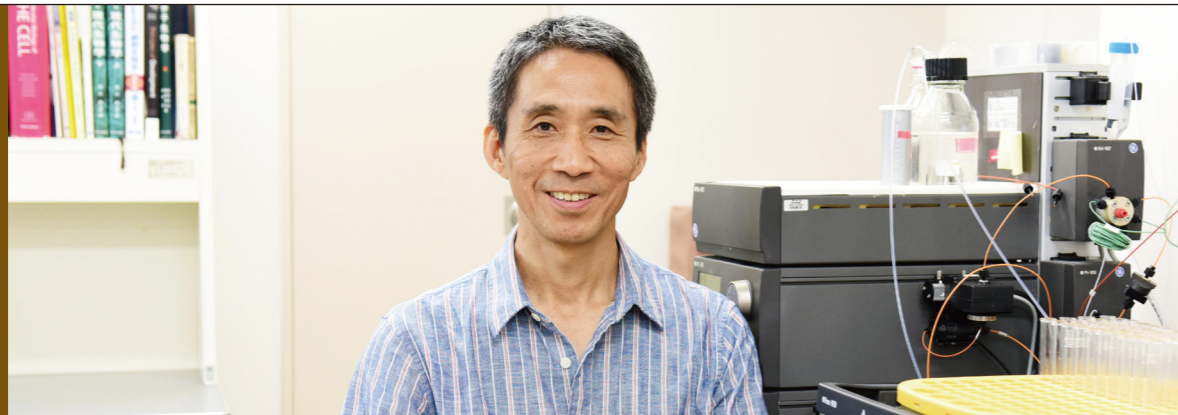


准教授 大塚 俊之
E-Mail: tohtsuka @ virus.kyoto-u.ac.jp

助教 小林 妙子
E-Mail: tkobayas @ virus.kyoto-u.ac.jp



Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/Kageyama/>



教授 大野 睦人
E-Mail: hitohno @ virus.kyoto-u.ac.jp

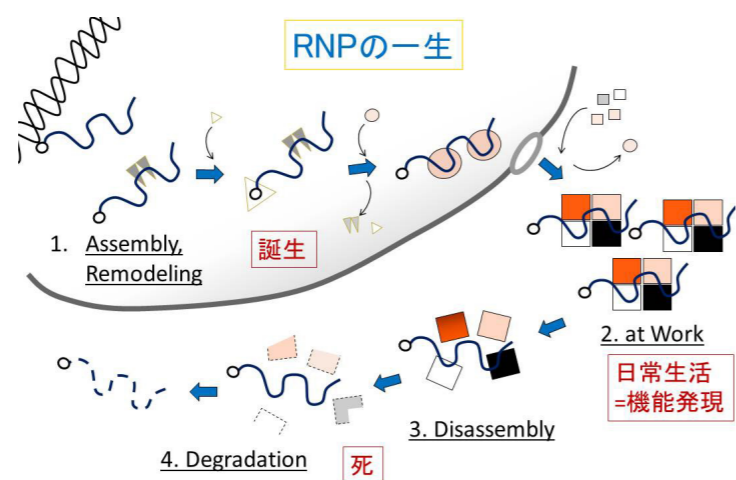
助教 北畠 真
E-Mail: kmakoto @ virus.kyoto-u.ac.jp

助教 谷口 一郎
E-Mail: itaniguc @ virus.kyoto-u.ac.jp

RNAシステム分野

細胞の中ではRNAは裸ではなくタンパク質との複合体RNP(ribonucleoprotein)として存在する。新生RNA鎖が染色体DNAから転写されるや否や種々の特異的なRNA結合タンパク質がRNA上に集合し特異的なRNPを作る。正しいRNPを作り損ねた場合は、工場の生産管理ラインでの不良品処理のように間引かれる。RNA/RNPは種々の構造変換(プロセッシング)を受け成熟化し、しばしばその働く場所まで輸送される。また、完成品となったRNA/RNPでも、例えば古くなったり損傷を受けたりして機能がなくなると解体される。

当研究室はこのようなRNPの生成(誕生)・機能発現(日常)・解体(死)といった「RNPの一生」に関わる生命科学の現象を広く研究する。主なテーマとして、(1) RNAの改変(プロセッシング)と輸送、(2) エイズウイルスによるRNA発現の制御機構、(3) リボソーム粒子の品質管理機構(4) 非コードRNAとmRNAの間の仕分けの分子機構、など。本研究分野は京都大学大学院理学研究科に協力講座(形質発現学)として所属しており、修士課程または博士後期課程から研究に参加することができる。



現在の生物の世界では、主たる遺伝物質はDNAであるが、主たる機能分子はタンパク質とRNAの両方である。つまり、現在の生物の世界はRNP worldといえる。RNPはヒトの一生のように、生成(誕生)・機能発現(日常)・解体(死)といったサイクルを繰り返す。そのそれぞれのステップには重要な生物学的テーマが潜んでいる。

Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/ohnolab.html>



教授 秋山 芳展
E-Mail: yakiyama @ virus.kyoto-u.ac.jp



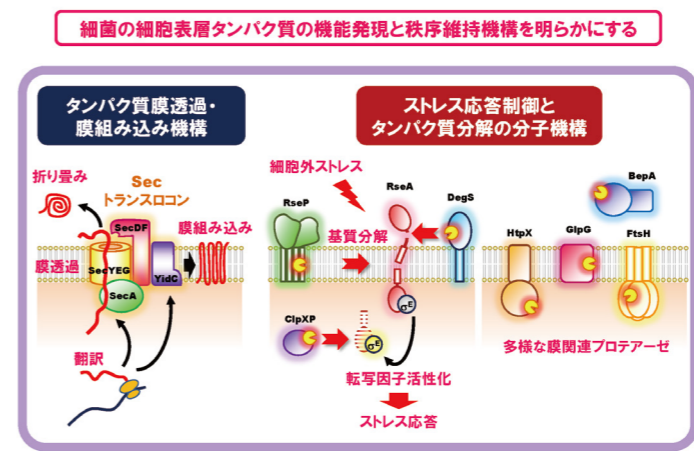
准教授 森 博幸
E-Mail: hiromori @ virus.kyoto-u.ac.jp

助教 檜作 洋平
E-Mail: y hizukur @ virus.kyoto-u.ac.jp

生体膜システム分野

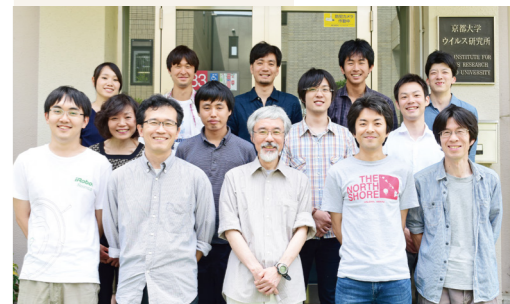
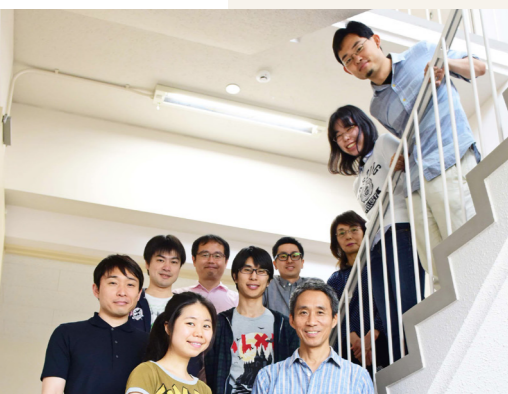
本研究室では、大腸菌や海洋性ピリオ菌等の細菌における表層タンパク質の、細胞内での折りたたみ、分泌、膜組み込み、局在化、分解及びストレス応答などの諸過程が機能的ネットワークを形成し的確に起こるために細胞に備えられている仕組みを解析し、細菌細胞表層タンパク質の機能発現と秩序維持機構を明らかにしようと努めています。現在は特に以下の2つに焦点をあてて研究を進めています。(1) タンパク質膜透過装置の機能: タンパク質の膜を越えた輸送や膜への挿入は、進化的に保存されたトランスロコン(SecYEG)及びその補助因子(SecDFなど)と膜透過駆動モーター(SecA)のダイナミックな相互作用を介しておこります。私達は、トランスロコンや関連因子の機能や立体構造の解析を進めています。(2) 膜タンパク質分解と表層ストレス応答: 膜タンパク質は、膜を越えた情報や物質の移行を媒介することで、膜機能に必須の役割を果たしています。私達は膜プロテアーゼに注目して、膜タンパク質分解機構とその細胞機能について研究を行っています。さらに、異常な細胞表層タンパク質の蓄積による「表層ストレス」を細胞がどのように感知し、対処するのかという問題についても取り組んでいます。

ター(SecA)のダイナミックな相互作用を介しておこります。私達は、トランスロコンや関連因子の機能や立体構造の解析を進めています。(2) 膜タンパク質分解と表層ストレス応答: 膜タンパク質は、膜を越えた情報や物質の移行を媒介することで、膜機能に必須の役割を果たしています。私達は膜プロテアーゼに注目して、膜タンパク質分解機構とその細胞機能について研究を行っています。さらに、異常な細胞表層タンパク質の蓄積による「表層ストレス」を細胞がどのように感知し、対処するのかという問題についても取り組んでいます。



生体膜システム研究室で行われている研究テーマの概略

Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/akiyama/index.html>





教授 豊島 文子
E-Mail: ftoyoshi @ virus.kyoto-u.ac.jp

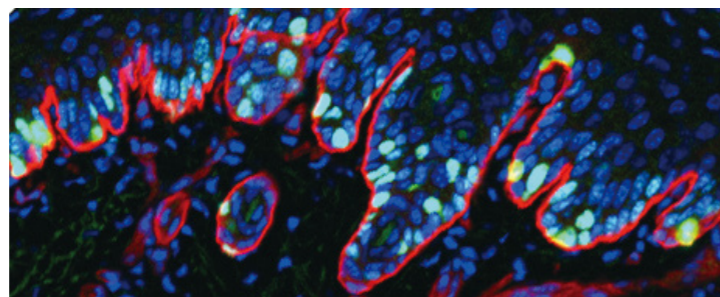
助教 小田 裕香子
E-Mail: ykoda @ virus.kyoto-u.ac.jp

助教 松村 繁
E-Mail: smatsumu @ virus.kyoto-u.ac.jp

組織恒常性システム分野

組織の恒常性維持には、幹細胞・前駆細胞の増殖・分化制御と組織を構成する細胞の新陳代謝が重要な役割を果たす。本研究室では、組織幹細胞・前駆細胞の対称分裂・非対称分裂による細胞運命決定と、組織細胞の新陳代謝の分子機構について研究を行っている。各ライフステージにおける体の生理変化に対する幹細胞・前駆細胞の応答機構と、組織・臓器の形態

変化のメカニズムを解析する。個体の恒常性を維持するための生体応答機構を1細胞レベルで理解し、再生医療への応用を目指す。主な研究項目は、
1) 表皮幹細胞の対称分裂・非対称分裂と皮膚恒常性維持機構
2) 免疫細胞の細胞運命決定機構
3) 妊娠・出産期における母体組織幹細胞制御と生殖機能における役割



成体マウスの手の皮膚。赤：基底膜、青：核、緑：増殖マーカー。増殖能をもった細胞が基底層に多く存在する。

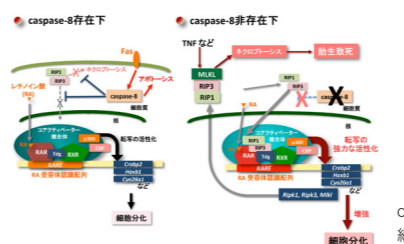
Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/Toyoshima-HP/toyoshima.html>



Lab URL http://www.fas.lif.kyoto-u.ac.jp/Home_j.htm

発がん機構分野

細胞死という生命現象の解析を軸とし、発がん・免疫・発生等の原理を明らかにすることを目的に研究を行っています。
1) 我々が発見したアポトーシスシグナルを伝



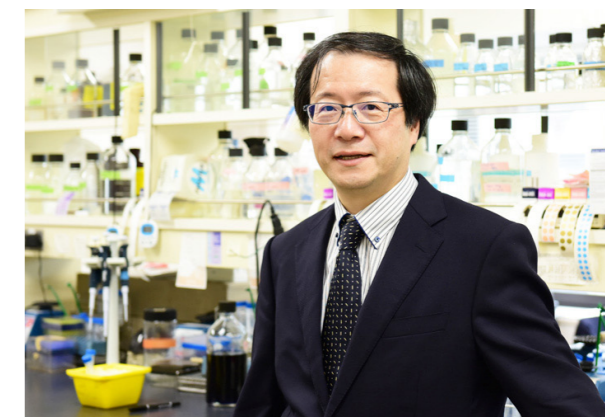
達する細胞表面レセプター分子 Fasや、その下流のシグナル分子が有する多様な機能の解析を行っています。Fasからのアポトーシス誘導シグナルを担うcaspase-8がプログラムされたネクローシス（ネクロプトーシス）を抑制すること、細胞死だけでなくレチノイン酸が誘導する細胞分化を強く制御することなどを見だし、解析を行っています。
2) アポトーシスではない新しい細胞死誘導の分子機構と生理機能の研究を行っています。

caspase-8によるアポトーシスやネクロプトーシスの制御と、細胞分化を担うレチノイン酸（RA）シグナルの制御機構

教授 米原 伸
(兼務)
E-Mail: yonehara @ lif.kyoto-u.ac.jp



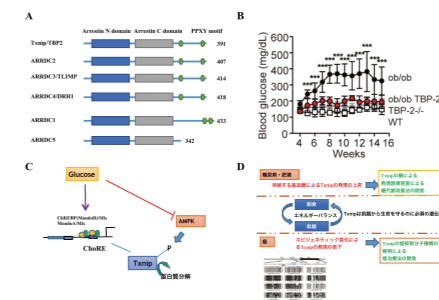
Thioredoxin interacting protein (Txnip/TBP-2/VD-UP1)は癌抑制、代謝制御に重要な働きをする多機能分子である。Txnipは様々な癌組織で発現が低下しており、膀胱癌患者で変異が7%見られることが報告されている実際の癌抑制遺伝子である。Txnipの分子機構の研究により、発癌機構の解明や癌治療・代謝制御法の開発を目指した研究を行っている。また、抗酸化ストレス蛋白質thioredoxin（チオレドキシニン）によるレドックスシグナルの研究を行っている。



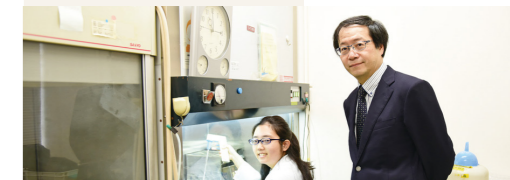
Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/MasutaniHP/jp/index.html>

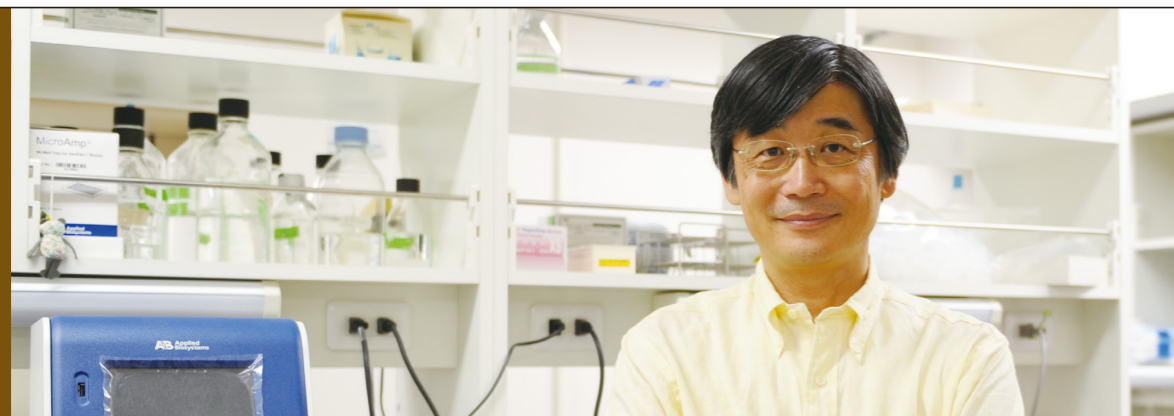
Thioredoxin interacting protein (Txnip)の研究による癌治療・代謝制御法の開発

A. Txnipはアルファアレスチンファミリーに属する。
B. Txnipノックアウトマウスではインスリンの分泌、インスリン抵抗性、膵臓ベータ細胞のアポトーシスの改善により高血糖が改善する。
C. Txnipは、glucoseにより転写活性化とAMPK阻害による蛋白質分解抑制により発現誘導される。
D. Txnipノックアウトマウスは飢餓により致死となり、Txnipは飢餓から生命を守る必須の遺伝子である。癌細胞では、エピジェネティック変化によりTxnipの発現は低下している。Txnipのglucoseによる誘導を阻害することによる代謝制御療法、Txnip分子機構の解明による癌治療法の開発をそれぞれ特異的なアプローチを用いて目指している。



准教授 増谷 弘
E-Mail: hmasutan @ virus.kyoto-u.ac.jp





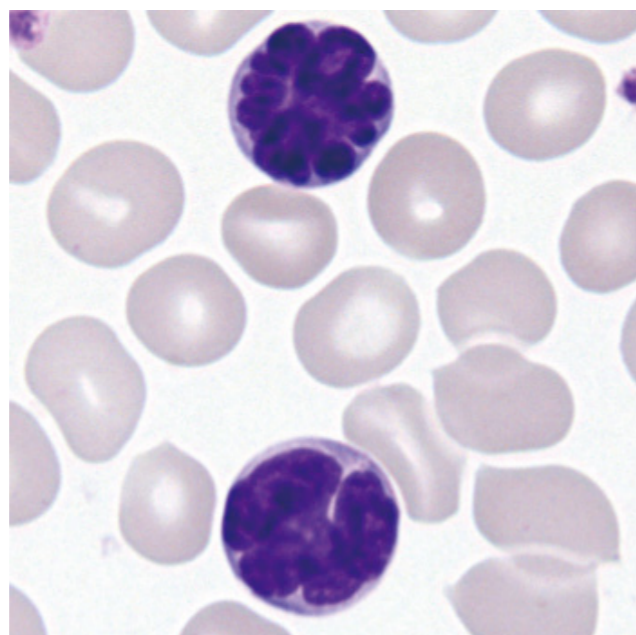
教授 松岡 雅雄

E-Mail: mmatsuok@virus.kyoto-u.ac.jp

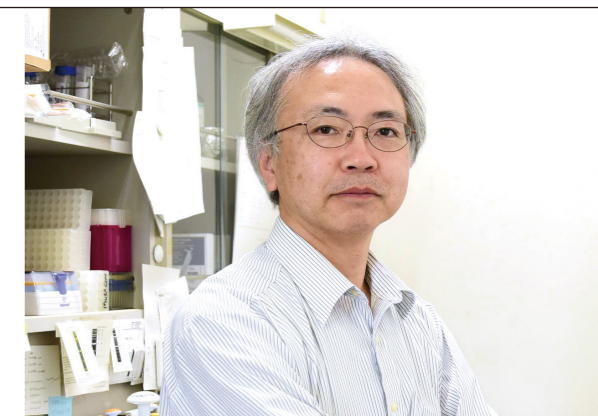
情報制御学分野 (客員)

ヒトレトロウイルスであるヒトT細胞白血病ウイルス1型(human T-cell leukemia virus type 1: HTLV-1)は成人T細胞白血病(adult T-cell leukemia: ATL)、HTLV-1関連脊髄炎(HTLV-1-associated myelopathy: HAM)の原因ウイルスであり、全世界で約1000万人、日本には約80万人の感染者がいると推定されている。中でも九

州はHTLV-1の高浸淫地域であるが、最近の疫学調査にて関東など都市部における感染者の増加が明らかとなり、依然として日本人にとって重要な感染症である。本分野では、臨床検体も用いてATL、HAMの発症機構、HTLV-1のウイルス学的研究を行っている。



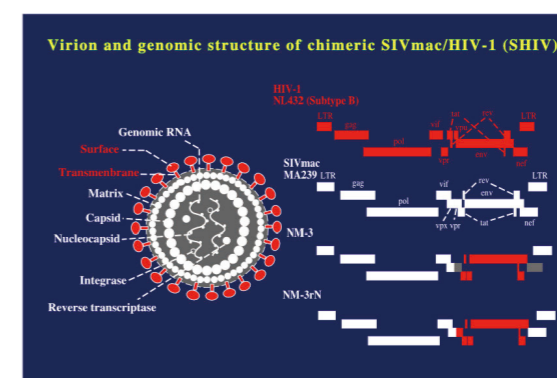
ATL細胞は分葉化した核を有していることから「花細胞」と呼ばれる。



准教授 三浦 智行
E-Mail: tmiurag@virus.kyoto-u.ac.jp

霊長類モデル分野

霊長類は、ヒトに最も近い実験動物であることから、多くの点でヒトの感染症に最も近い病態モデルとなることが期待され、中には霊長類のみにしか感染しないヒトの病原ウイルス(エイズウイルス等)もある。本研究室では、研究所が有する我が国で最大規模のP3レベル霊長類感染実験施設を使用し、医学実験用サルを用いて病原ウイルスによる感染・発症モデル系を確立し、感染症の病原性解明および予防・治療法開発のための基礎研究を行っている。



ヒトとサルの免疫不全ウイルス(HIV-1, SIV)およびHIV-1のenv遺伝子を持つSIVとのキメラウイルス(SHIV)のウイルス粒子及び遺伝子構造

Lab URL <http://www.virus.kyoto-u.ac.jp/Lab/primatemodelHP/index.html>



Topics

感染防御分野

自然免疫応答における転写後制御の解明を試みています。特に炎症性サイトカインmRNAの分解に関わるRNA分解酵素Regnase-1の作用機構の解明を中心に行っており、最近の研究により、病原体感染などに対する炎症反応が、RNA分解酵素Regnase-1とRNA結合蛋白質Roquinという、不必要なmRNAを分解する2つのプレーキシステムにより巧妙に制御されていることを解明しています。



助教 三野 享史

システムウイルス学分野

ヒト免疫不全ウイルス(HIV)はヒトにのみエイズを引き起こすウイルスであるため、その感染病態を動物モデルを用いて再現・解析するのはきわめて困難でした。私たちは、ヒト免疫システムを再構築した「ヒト化マウス(humanized mouse)」モデルを用いることで、HIV感染病態を再現できる実験動物モデルの作出に成功しました。この動物モデルを用い、HIVがエイズを引き起こすメカニズムの研究を進めています。また、近年の実験解析技術の飛躍的向上により、詳細かつ膨大な実験データの取得が可能となりました。ウイルス学的解析から得られた実験データを数理的に解析することで、主観的見地からのみは見出すことができない「真の」ウイルス感染ダイナミクスを明らかにすることを目的とした学際融合研究「システムウイルス学」を展開しています。



講師 佐藤 佳



inFront

教授 明里 宏文
(兼務)

E-Mail:
akari.hirofumi.5z@kyoto-u.ac.jp

ウイルス感染症モデル分野

当研究室では、難治性ウイルスであるヒト免疫不全ウイルス (HIV)、C型肝炎ウイルス (HCV)、およびヒト T 細胞白血病ウイルス (HTLV) の研究を行っています。これらのウイルスは幾つかの共通点があります。すなわち、①長い年月に及ぶ持続感染の末に発症に至ること、②宿主の免疫機構を巧妙に回避出来る技を持っていること、③非常に狭い(選択的な)宿主特異性を示すことです。特にこの宿主特異性(ヒトを含む類人猿にしか感染できない)のため、小型実験動物を用いたモデル研究が困難

なものです。私達はこの難題に取り組み、これまでにウイルスの改変や最適化、宿主の遺伝的背景による選別などにより、実験用霊長類を用いた新規モデルシステムを樹立してきました。難治性ウイルスによる感染症の動物モデルにより、ウイルスがヒトの体内で引き起こす様々な病態や持続感染のメカニズム、及びそれに対する宿主免疫応答を明らかにするとともに、新規治療法やワクチンの開発といった応用研究も積極的にチャレンジしていきたいと考えています。

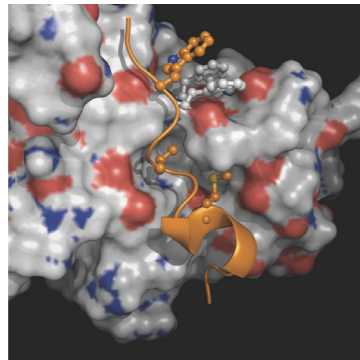


図1 HIV-1 Nef蛋白とAP-1 mu-1 鎖との結合モデル図

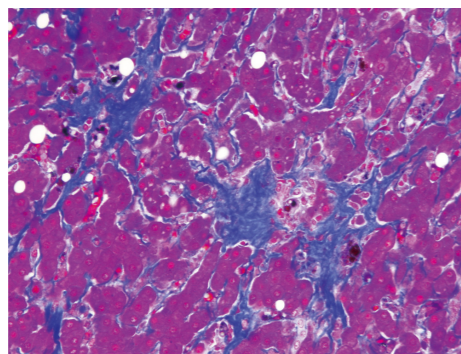


図2 サル肝炎モデルにおける肝線維化 (マッソントリクローム染色像)

Lab URL <https://akari-labo.jimdo.com/>

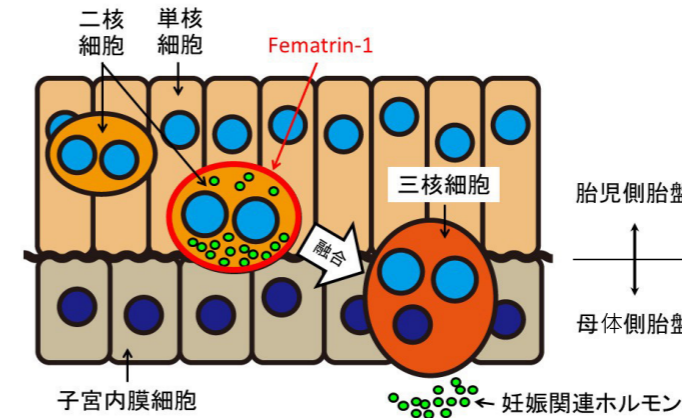
ウイルス共進化分野

哺乳類のゲノムの中には、太古の昔のレトロウイルス感染の痕跡である内在性レトロウイルス (ERV) が約10%も存在しており、新たなレトロウイルス感染症の発生源になっている。その一方でERVは、哺乳類の胎盤形成や細胞の初期化など、広く生命現象や進化に深く関わっている。当研究室では、ウイルスと宿主の相互関係を明らかにすることで、新興ウイルス感染症が発生する仕組みと、哺乳類がウイルスと共進化してきた過程を明らかにする。



inFront

准教授 宮沢 孝幸
E-Mail:
tmiyazaw@virus.kyoto-u.ac.jp



ウシ胎盤にみられる三核細胞の形成に関与する内在性レトロウイルス (BERV-K1) 由来タンパク質 (Fetratin-1)

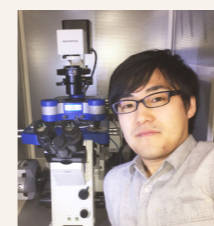
Lab URL <http://paleovirology.jimdo.com/>



Topics

バイオメカニクス分野

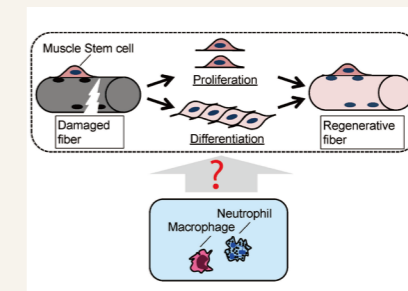
多細胞組織が有する機能的な構造は、個々の細胞による周囲の力学環境の感知・フィードバックを介して統合的に維持されています。私の研究では、細胞間接着に存在する張力感知分子 (α カテニン) を取り上げ、原子間力顕微鏡 (AFM) を基盤としたナノバイオメカニクス実験により、その張力感知メカニズムを1分子レベルで理解することを目指しています。



博士後期課程3年 牧 功一郎

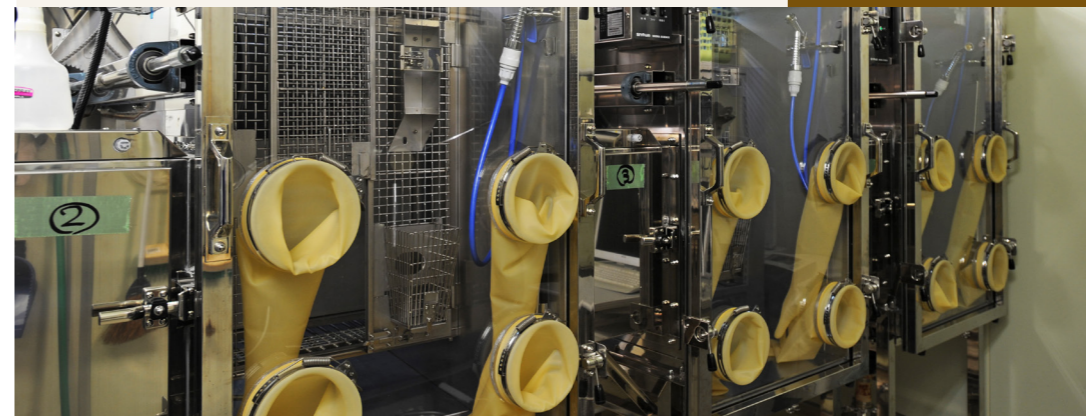
再生増殖制御学分野

骨格筋は高い再生能力を持っているので、損傷を受けても元通りに回復します。これは筋肉の元となる幹細胞の能力に由来しています。普段、幹細胞は静止期と呼ばれる状態にあり、損傷を受けた際に活性化し、細胞増殖と分化が起こります。では活性化を誘導するものは何でしょうか。マクロファージや好中球などの免疫細胞は損傷に反応します。このことから、私は幹細胞の活性化に対するこれら免疫細胞の寄与を調べています。



研究員 西郷 大吾

附属再生実験動物施設



附属霊長類実験施設

当センターでは霊長類P3感染実験が可能な動物施設を保有しており、全国共同利用・共同研究拠点として、全国の研究者と共同研究を推進している。専属の技術職員（獣医師）らによって動物の飼育管理や施設の維持管理が行われ、研究をサポートしている。平成23年度までにP2レベル動物飼育室の新設とP3レベル動物飼育室の改修整備が行われており、今後の利用増加が期待される。



教授 近藤 玄
(兼務)

E-Mail: kondohg @ frontier.kyoto-u.ac.jp

准教授 廣田 圭司
(兼務)

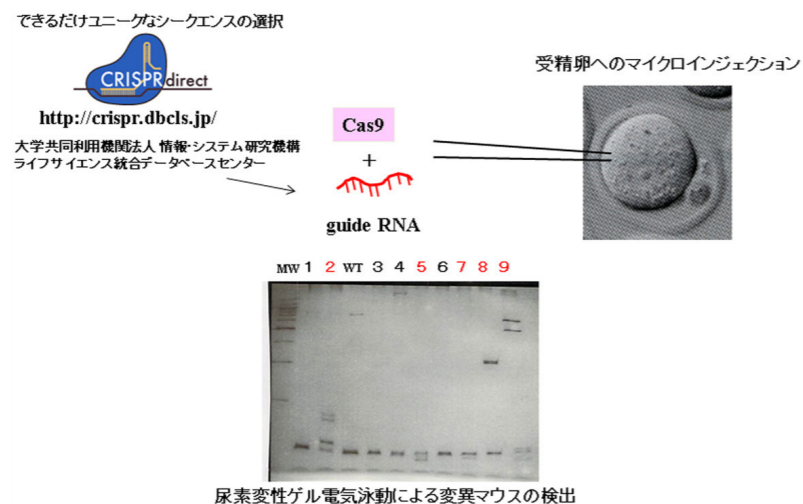
E-Mail: kaihen-anim @ frontier.kyoto-u.ac.jp

助教 渡邊 仁美

E-Mail: kaihen-anim @ frontier.kyoto-u.ac.jp

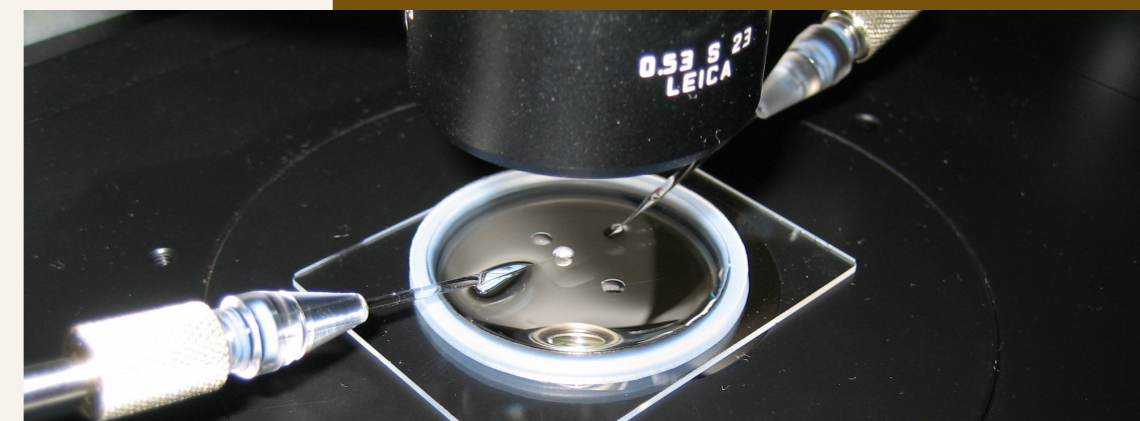
再生実験動物施設では、平成26年度イヌ; 142頭、サル;1頭、ウサギ;71羽、ラット; 229匹、マウス;9,334匹が実験動物として飼養された。これらの実験動物の日常的な飼育・管理を教授1名、准教授1名、助教1名、技術職員3名、非常勤職員19名で行っている。
当施設では動物実験を行うにあたっては、生命倫理・動物福祉に十分の理解と配慮をして実施する事が大前提である。この原則を周知・徹底させるため、動物実験に従事する者は、動物実験に関する法規制・内

規、実験動物の取り扱い方等についての全学講習および所内講習を受講することが義務付けられている。また研究支援として遺伝子改変マウスの作出を行っている。我々は、“時間と労力のかからない技術の採用や改良”を心掛けてきたが、近年、TALENやCRISPR-Cas9ゲノム編集法を用いた簡易な遺伝子改変マウス作出技術が開発された。当施設でもこれらを積極的に取り入れて利用者の利便性や3Rに基づくマウス作出をこれからも図ってゆく所存である。



当施設のCRISPR-Cas9ゲノム編集法を用いた遺伝子変異マウス作出の概略

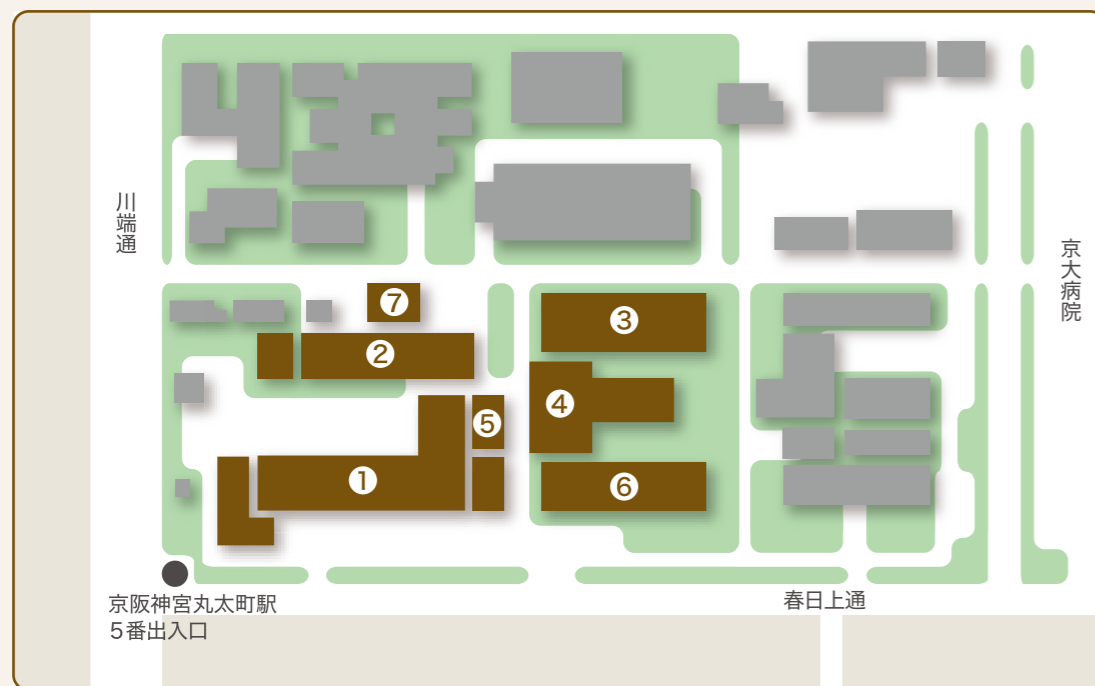
Lab URL <http://www.frontier.kyoto-u.ac.jp/an/newpage1.html>



マウス作製支援チーム

マウス作製支援チームはマウス受精卵の凍結保存をはじめトランスジェニックマウス (Tg) やノックアウトマウス (KO) の作製支援を行っている。また、生殖工学技術を用い、体外受精によるマウスコロニーの拡大、ホモマウス作製、胎生期解析用の受精卵準備やICSI (顕微授精)、卵巣移植なども実施可能である。

案内図



交通案内

- JR京都駅からタクシーで20分
- JR京都駅から市バス206系統、北大路バスターミナル行き(東大路通り)熊野神社前下車西へ徒歩5分
- JR京都駅から市営地下鉄烏丸線(国際会館方面)、烏丸御池駅で東西線(山科・六地藏方面)に乗り換え、三条京阪駅で下車。京阪電車「出町柳行き」に乗り換え、神宮丸太町駅下車。
- 阪急河原町駅から京阪祇園四条駅まで徒歩2分、京阪電車「出町柳行き」に乗り、神宮丸太町駅下車。5番出入口すぐ。
※神宮丸太町駅には特急は止まりません。

① 南部総合研究1号館
・ウイルス再生研1号館



- ・がんウイルス分野
- ・細胞機能調節学分野
- ・再生増殖制御学分野
- ・再生免疫学分野
- ・発生エピゲノム分野
- ・胚性幹細胞分野
- ・統合生体システム分野
- ・生体再建学分野(客員)
- ・発生システム制御分野
- ・事務室

② ウイルス再生研2号館



- ・分子遺伝学分野
- ・ウイルス制御分野
- ・がんウイルス分野
- ・細胞制御分野
- ・免疫制御分野
- ・感染防御分野
- ・増殖制御システム分野
- ・RNA システム分野
- ・生体膜システム分野
- ・組織恒常性システム分野
- ・発がん機構分野
- ・ウイルス共進化分野

③ ウイルス再生研3号館



- ・生体材料学分野
- ・組織再生応用分野
- ・臓器・器官形成応用分野
- ・生体分子設計学分野
- ・ナノバイオプロセス分野
- ・バイオメカニクス分野

④ ウイルス再生研4号館



- ・免疫制御分野
- ・附属再生実験動物施設

⑤ ウイルス再生研5号館



- ・発生エピゲノム分野
- ・胚性幹細胞分野
- ・統合生体システム分野
- ・生体分子設計学分野
- ・発生システム制御分野

⑥ 分子生物実験研究棟



- ・RNA ウイルス分野
- ・微細構造ウイルス学分野
- ・システムウイルス学分野
- ・霊長類モデル分野
- ・マウス作製支援チーム
- ・附属霊長類実験施設

⑦ ウイルス再生研北実験棟

- ・分子遺伝学分野
- ・増殖制御システム分野
- ・ウイルス感染症モデル分野